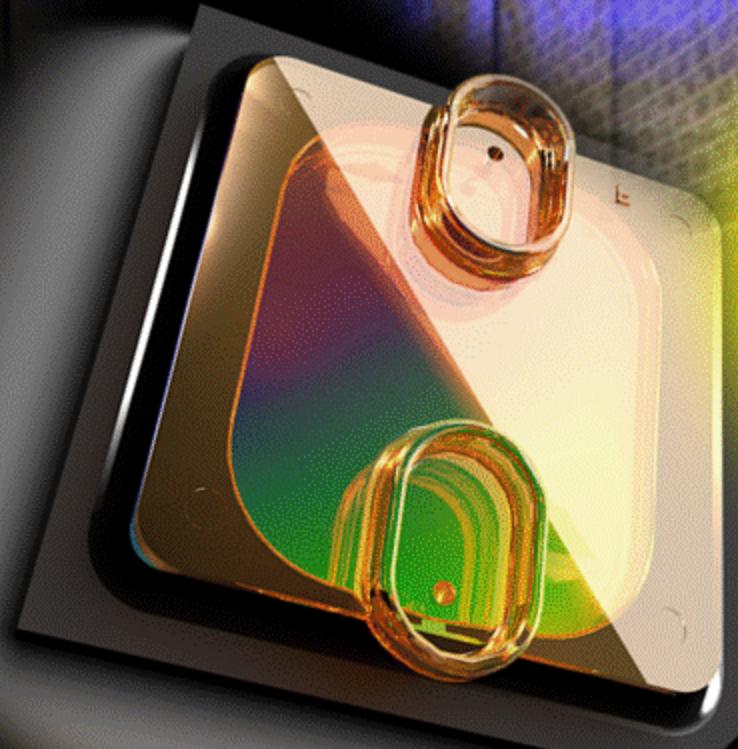
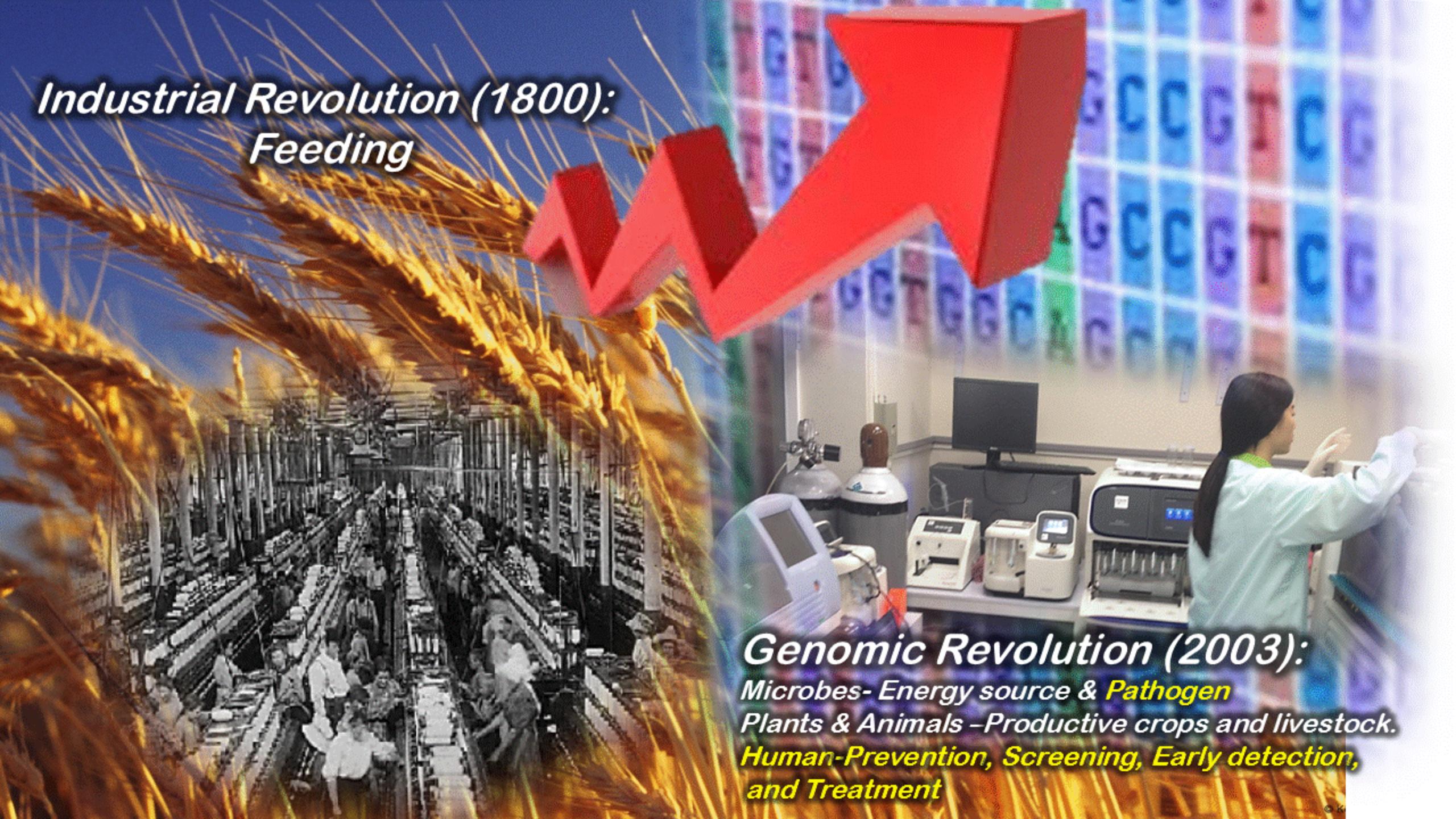


Genomic Medicine in Thailand



Partly supported by





*Industrial Revolution (1800):
Feeding*

Genomic Revolution (2003):
Microbes- Energy source & Pathogen
Plants & Animals -Productive crops and livestock.
*Human-Prevention, Screening, Early detection,
and Treatment*



Timeline: Major Events in the Thai Genome Projects



Thailand
Research
Fund



National
Science and
Technology
Development
Agency



Ramathibodi
hospital



Thai
MOPH



Riken
CGM



Thailand Center of
Excellence for Life
Sciences

**2548/
2005**
**Pharmaco-
genomics
project**



*Innovation
Passion*

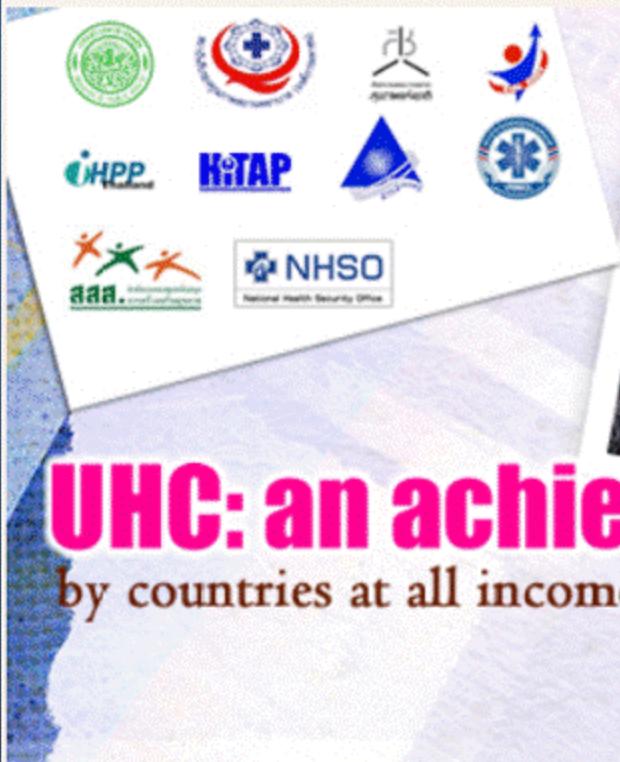


รัฐบาล (ใน พ.ศ. 2546) กำหนดยุทธศาสตร์ก้าวกระโดด (LEAP-FROG STRATEGY) ของ Thailand Life Science Innovation

National Health Security Office (NHSO), Thailand

[Home](#)[Sitemap](#)[Mail NHSO](#)

ไทย | Eng

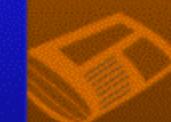
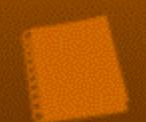


UHC: an achievable goal

by countries at all income level

WHO model for Universal health coverage

Most of our population is covered by health insurance

[UC News](#)[National Health Security Act](#)[more](#)

Message From

NHSO'Secretary General,

Dr.Winai Sawasdivorn

For more than eight years of its existence, Thailand's universal health care coverage has been strengthened and pr... [more](#)



Pharmacogenomics: Moving medical advances into developing nations.

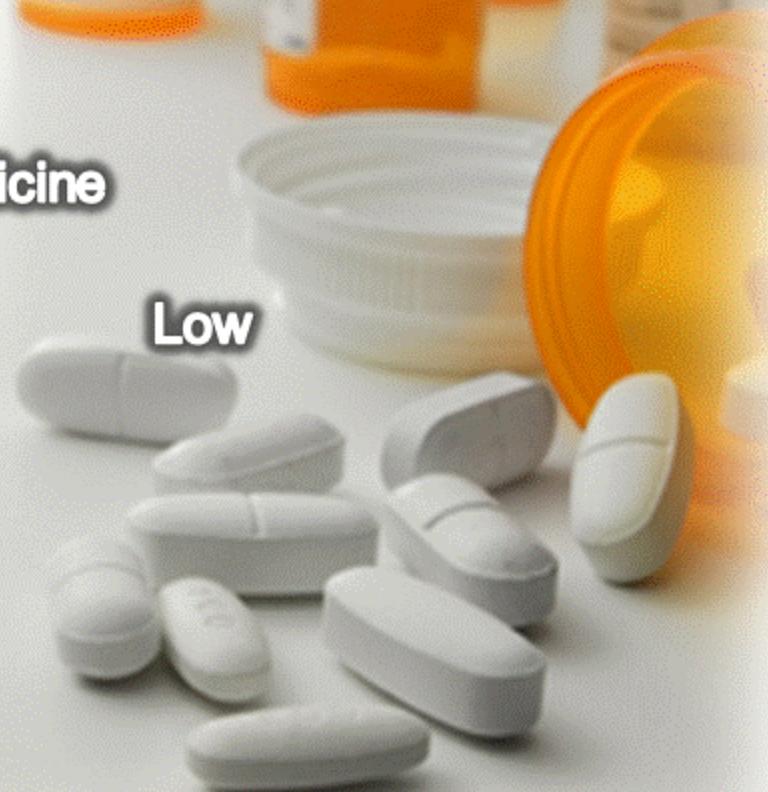
Developed Nations

Developing Nations

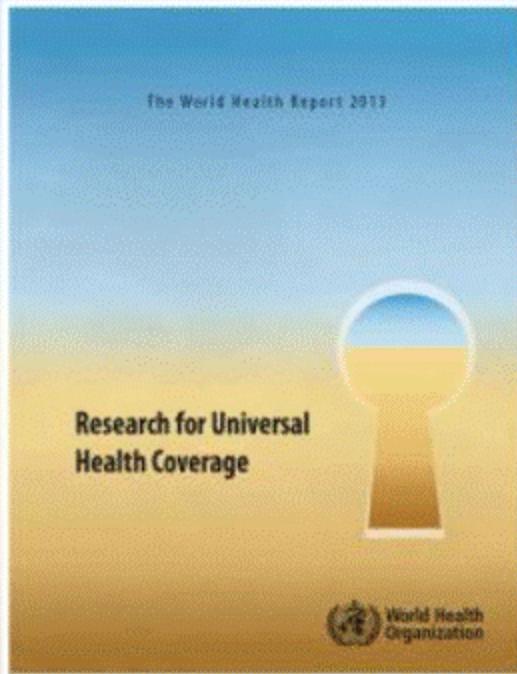
The Choice/selection of Medicine

High

Low



In the developing world, we cannot afford that many medicines. If we get it wrong for the first time, we may not have a second time. And if we get it wrong the second time; it's almost certain that they never have a third time. Therefore, it is very crucial to pick the right drug into the National list of essential medicines. Pick the wrong drug, it is wasting National healthcare budget.



NICE and HITAP were cited in the 2013 World Health Report, as case studies of HTA institutions supporting universal health coverage.

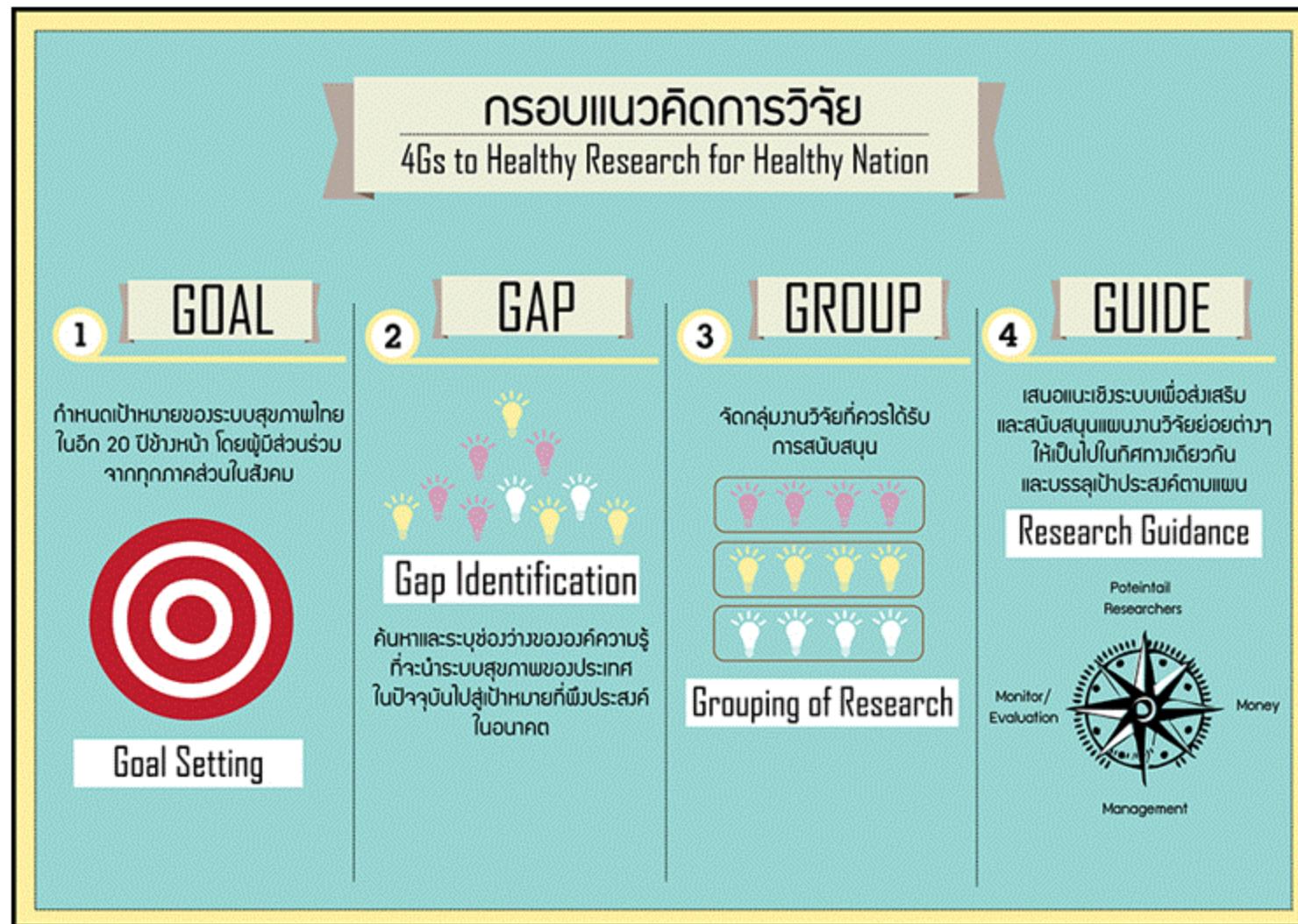
HITAP sets an example for other newly developed HTA agencies in developing nations where there are no well-established systems, mechanisms and legislation for health resource allocation.

Explore the global view on "[How Thailand assesses the costs and benefits of health interventions and technologies](#)".

The report is now available at: www.who.int/entity/whr/2013/report/en/index.html

In our health policy development project by the International Health Policy Program (IHPP), Thailand, showing that genetic information is regarded as a very important field, more important than stem cell,

20 years of Healthy research in Thailand



- Genetic testing is among technology of interested by Thai Public
- <http://www.hitap.net/healthyresearch/doc-2.html>



Ramathibodi
Hospital



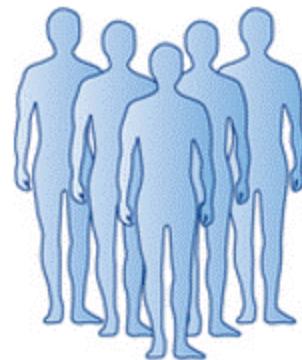
Fac. of Pharmacy
Mahidol U



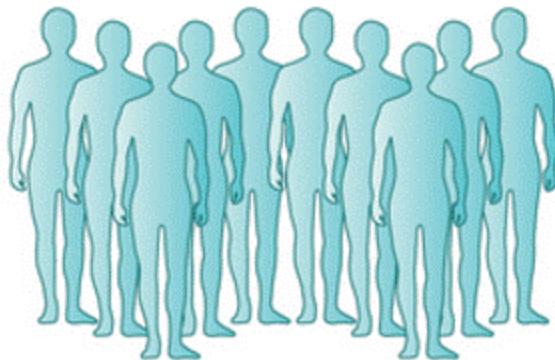
คณะเภสัชศาสตร์
มหาวิทยาลัยมหิดล

Thai
MOPH





Cases



Controls



Register study



Collect saliva and blood for
DNA extraction



HLA typing, GWAS and sequencing

Javanese Indonesia

Thailand

No.	HLA allele	Control	
		(Total = 236)	
		n	f
1	B*0702	4	0.017
2	B*0705	12	0.051
3	B*1301	6	0.025
4	B*1302	5	0.021
5	B*1502	54	0.229
6	B*1512	6	0.025
7	B*1513	51	0.216
8	B*1517	4	0.017
9	B*1521	33	0.14
10	B*1525	8	0.034
11	B*1532	4	0.017
12	B*1801	29	0.123
13	B*1802	8	0.034
14	B*2706	14	0.059
15	B*3503	11	0.047
16	B*3505	39	0.165
17	B*3802	25	0.106
18	B*4001	17	0.072
19	B*4006	4	0.017
20	B*4403	42	0.178
21	B*5101	15	0.064
22	B*5102	16	0.068
23	B*5201	5	0.021
24	B*5602	4	0.017
25	B*5701	6	0.025
26	B*5801	27	0.114

Population	Allele	Allele freq
Thailand	B*0702	0.007
Thailand	B*0705	0.014
Thailand	B*0801	0.007
Thailand	B*1301	0.021
Thailand	B*1302	0.032
Thailand	B*1501	0.014
Thailand	B*1502	0.085
Thailand	B*1512	0.014
Thailand	B*1513	0.018
Thailand	B*1517	0.007
Thailand	B*1521	0.007
Thailand	B*1525	0.025
Thailand	B*1527	0.004
Thailand	B*1532	0.011
Thailand	B*1801	0.067
Thailand	B*1802	0.004
Thailand	B*27	0.053
Thailand	B*3501	0.025
Thailand	B*3503	0.011
Thailand	B*3505	0.070
Thailand	B*3508	0.004
Thailand	B*3701	0.011
Thailand	B*3801	0.028
Thailand	B*3901	0.025
Thailand	B*3906	0.004
Thailand	B*3915	0.004
Thailand	B*4001	0.085
Thailand	B*4002	0.018
Thailand	B*4006	0.011
Thailand	B*4010	0.004
Thailand	B*4402	0.004
Thailand	B*4403	0.042
Thailand	B*4601	0.092
Thailand	B*4801	0.011
Thailand	B*5001	0.004
Thailand	B*5101	0.046
Thailand	B*5102	0.014
Thailand	B*5201	0.035
Thailand	B*5401	0.018
Thailand	B*5501	0.007
Thailand	B*5601	0.018
Thailand	B*5701	0.018
Thailand	B*5801	0.077

Carbamazepine

Nevirapine

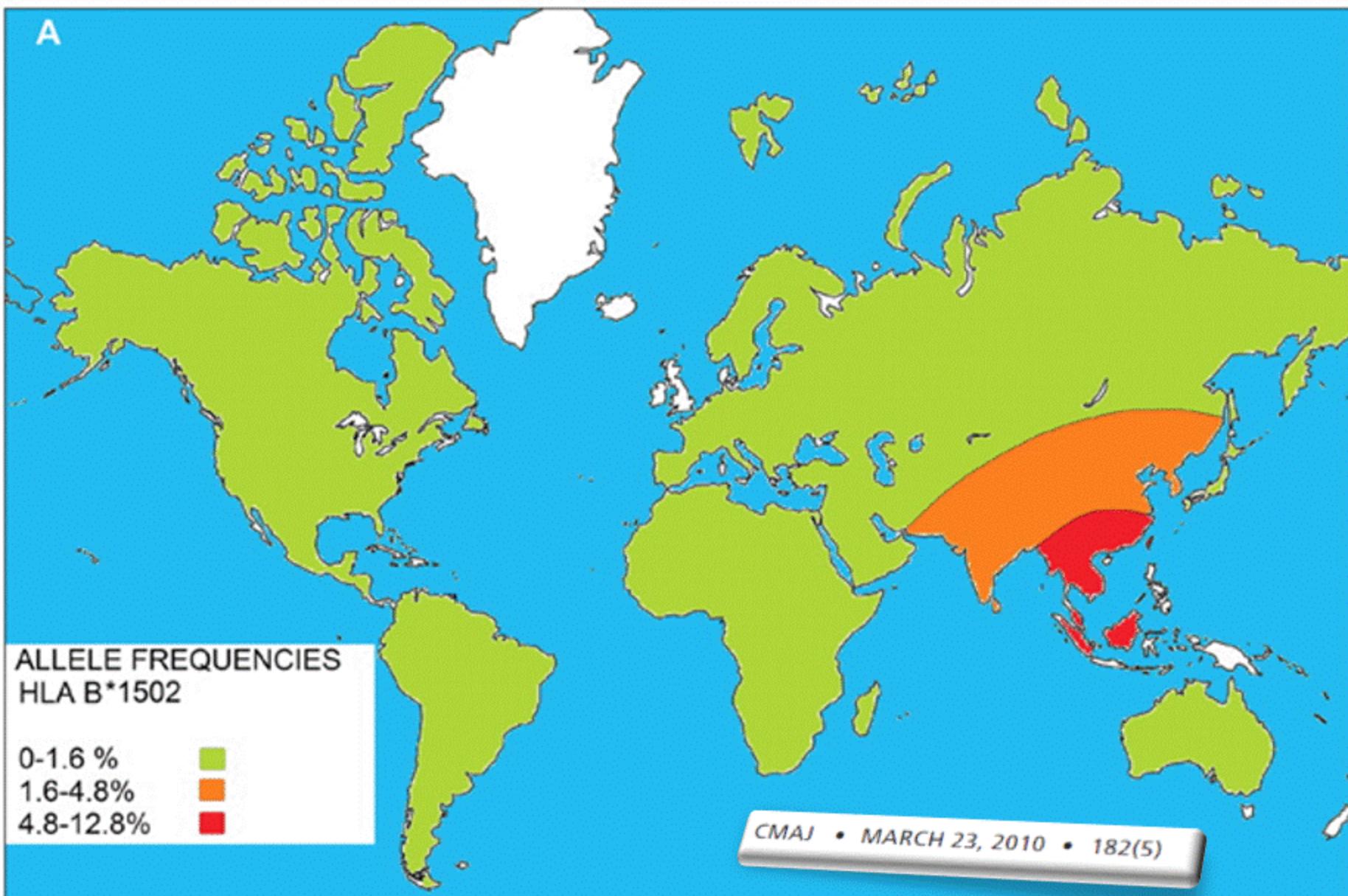
D4T

Abacavir
Allopurinol

Populati

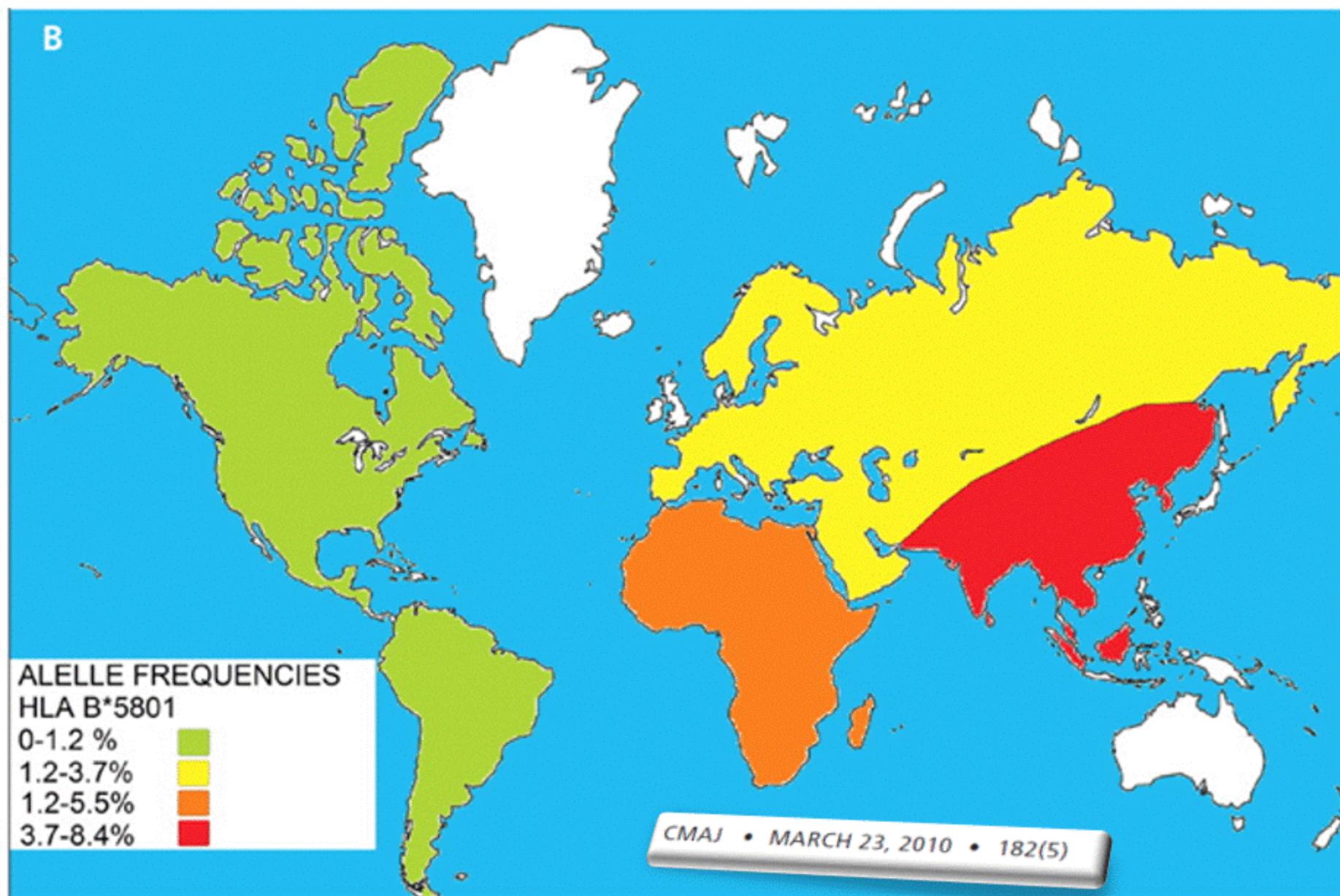
Thailand

Carbamazepine: SJS/TEN B*1502



Allopurinol: SJS/TEN

B*5801



Nevirapine: SJS/TEN

B*3505

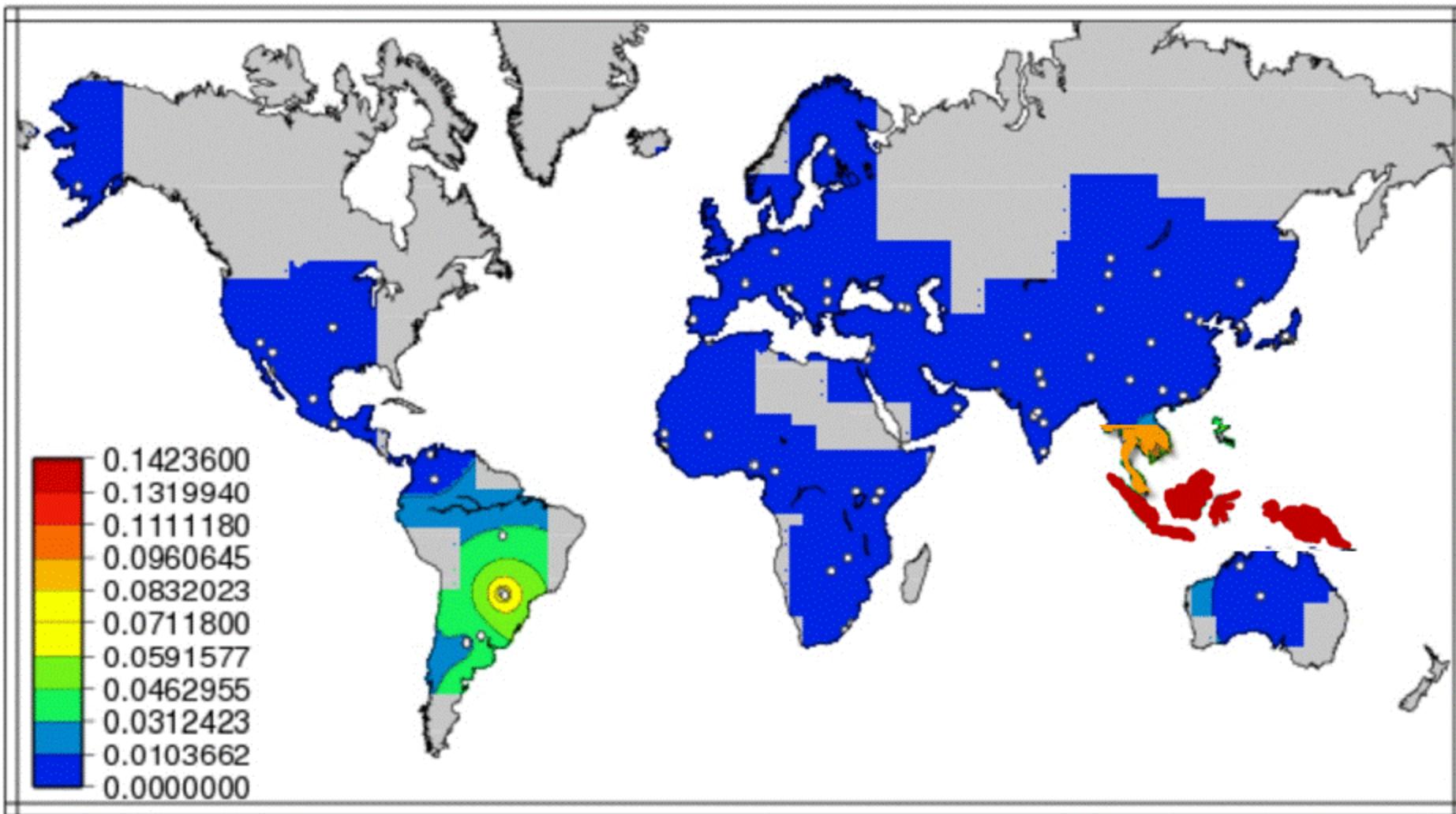


Image from Solberg et al. (2008) – see www.pypop.org/popdata for more info.

D4T: Lipodystrophy

B*4001

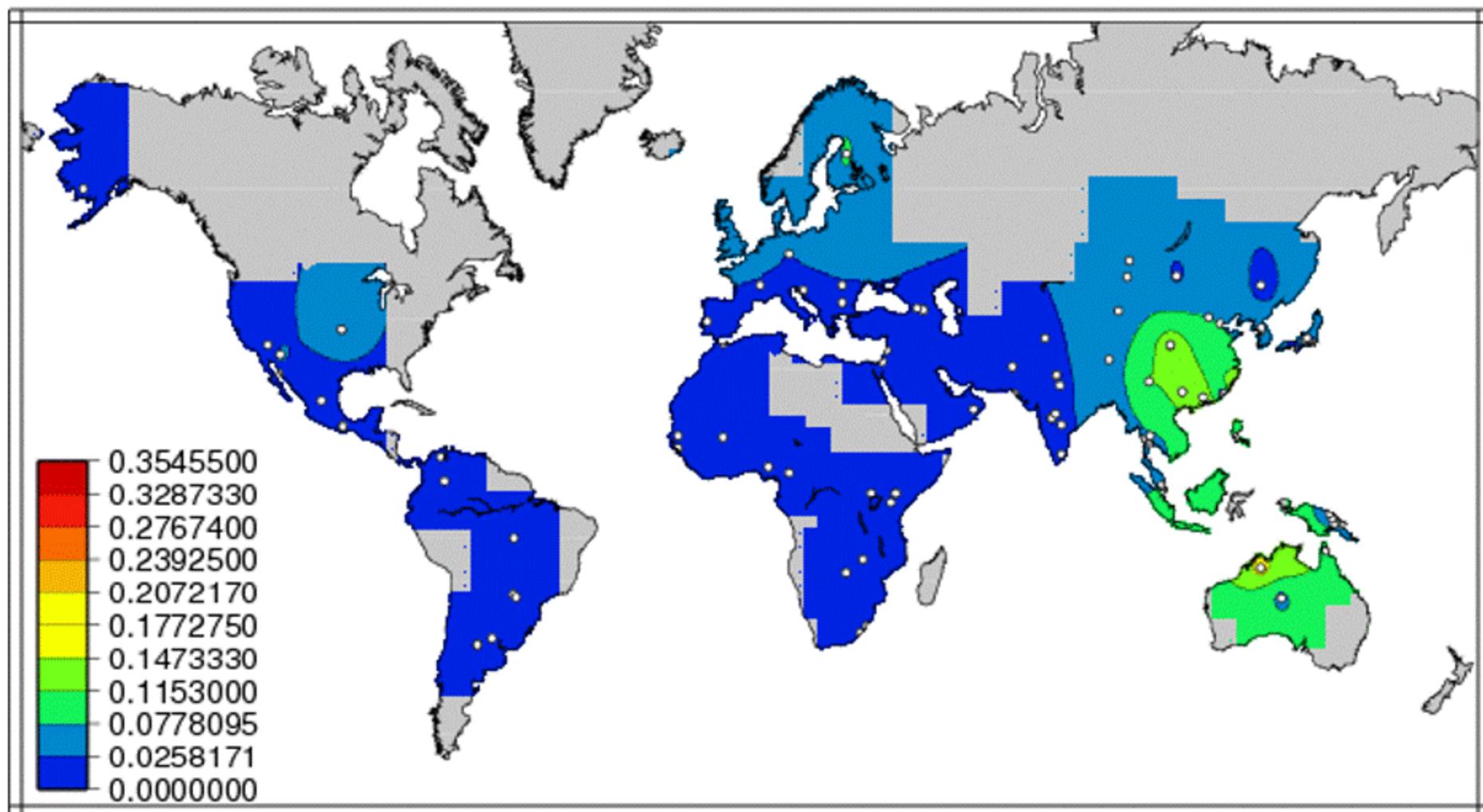


Image from Solberg et al. (2008) – see www.pyopop.org/popdata for more info.

Abacavir: Hypersensitivity

B*5701

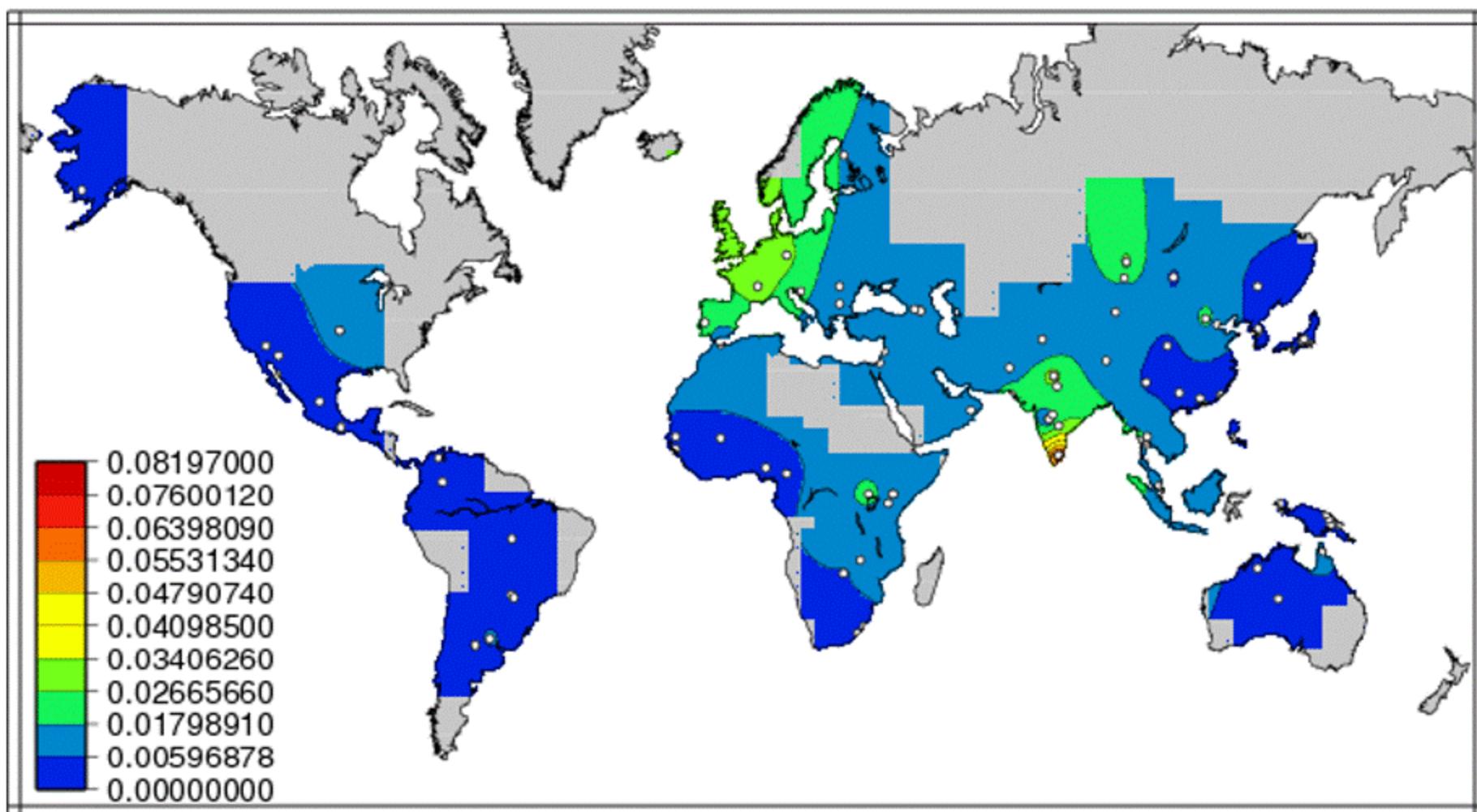
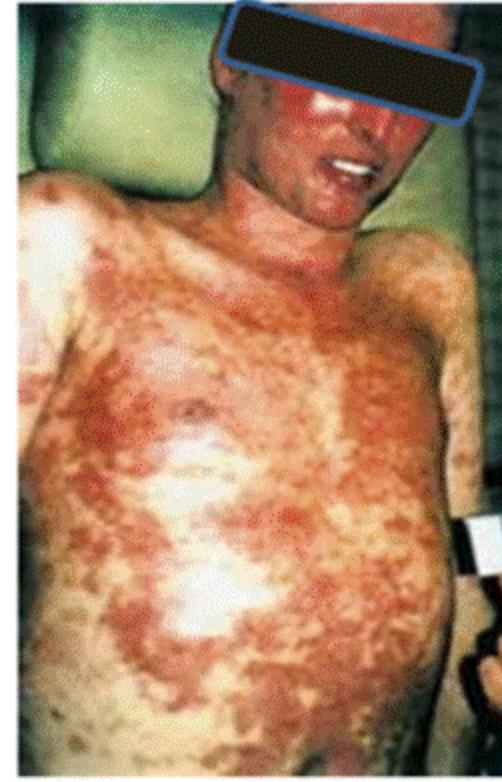


Image from Solberg et al. (2008) – see www.pypop.org/popdata for more info.



ผู้ป่วยที่มีอาการ Steven-Johnson syndrome (SJS) และ Toxic epidermal necrosis syndrome (TENS)



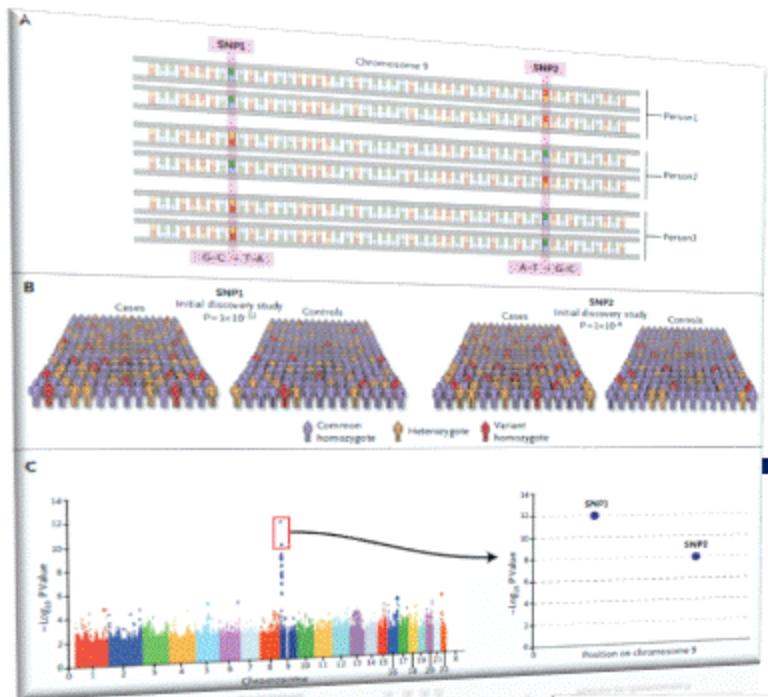
Drug induced SJS/TENs in Thailand 1998-2008

(Reference: Thai FDA 2008)

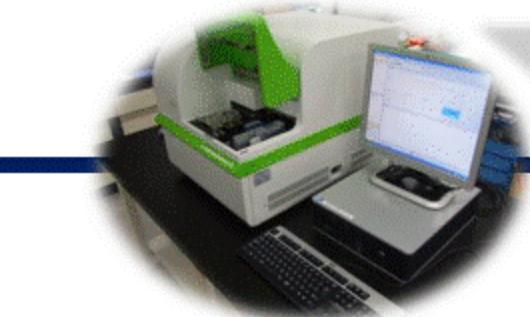
Drug name	Count
1. SULFAMETHOXAZONE+ TRIMETHOPRIM	1,234
2. CARBAMAZEPINE	703
3. ALLOPURINOL	664
4. PHENYTOIN	451
5. AMOXYCILLIN	342
6. STAVUDINE + LAMIVUDINE+NEVIRAPINE	313
7. PHNOBARBITAL	189
8. IBUPROFEN	156
9. NEVIRAPINE	122
10. TETRACYCLINE	113

Genomic markers have been found and utilized as predictive tools by our group.

Recommendation/ Guideline



Genomics screening test



POC device

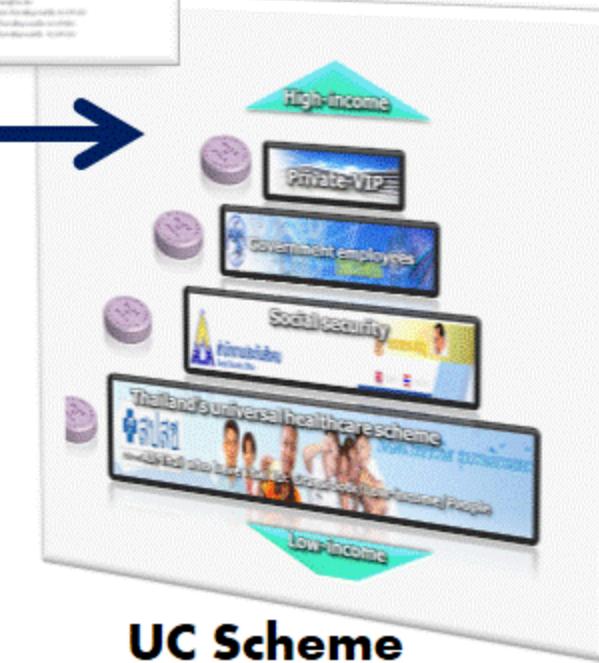
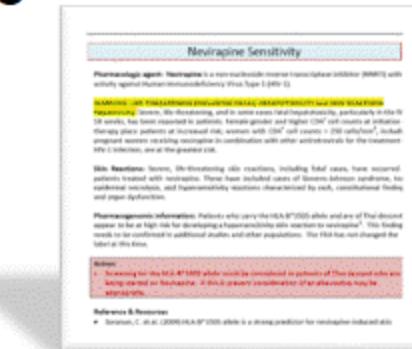
GWAS



Clinical trial



UC Scheme



Research workflow from Bench to UC

Discovery: Genomic predictive markers for HIV-1 pharmacogenetics

International publications: >14

Chromosome 6

Chromosome 19

HIV-ADR All-in-One

HLA-B*1502 => การแพ้ยา Carbamazepine (ยาแก้นัข)*
HLA-B*5801 => การแพ้ยา Allopurinol (ยาลดกรดยูริก)*
HLA-B*5701 => การแพ้ยา Abacavir (ยาต้านไวรัสเอดส์)*
HLA-B*3505 => การแพ้ยา Nevirapine (ยาต้านไวรัสเอดส์)
CCHCR1 => การแพ้ยา Nevirapine (ยาต้านไวรัสเอดส์)
CYP2B6 => การแพ้ยา Nevirapine & Efaviren (ยาต้านไวรัสเอดส์)
HLA-B*4001 => การแพ้ยา Stavudine/d4T (ยาต้านไวรัสเอดส์)
ผู้ป่วยเมื่อมีอาการแพ้ยาจะหยุดใช้ยาต้านไวรัสหรือใช้ไม่ต่อเนื่อง
เข้าสู่เกิดการกลایทันซึและต้องอยาต้านไวรัสในที่สุด
*ค้นพบโดยนักวิจัยกลุ่มนี้

Lab-on-a-chip

Reagent kit

The winner of Thailand innovation awards 2011

Innovation: HIV-1 pharmacogenetic screening tests

3Patents: Risk assessment for lipodystrophy and cutaneous adverse drug reactions from antiretroviral agents

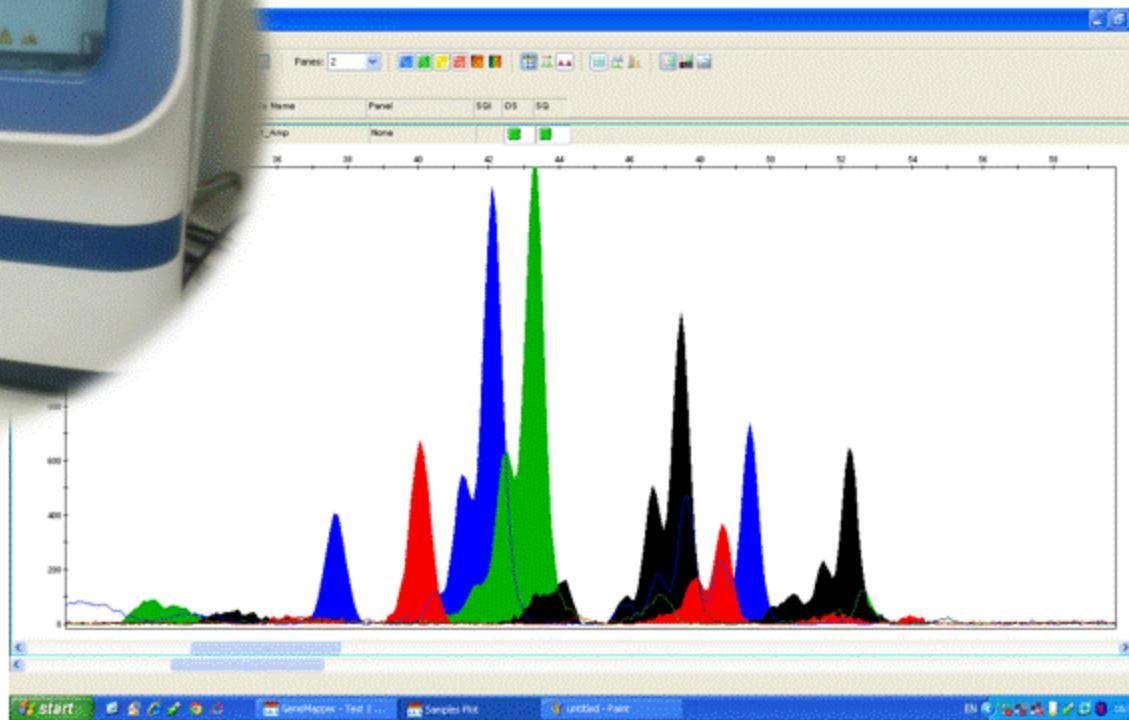
Social Impact: Life-saving and cost-saving from adverse drug reaction and HIV drug resistance.



Determine mutations from single base primer extension (SBE) or SNaPshot

Interrogate up to 10 mutations from different amplicons in a single base extension reaction.

Multiplexing capability up to 10-plex at low cost.



Sensitive allele-frequency detection (typically 5%)

สารพันธุกรรม : การเกิดภาวะแพ้ยารุนแรง SJS/TEN ในคนไทย

ข้อมูลจากฐานศูนย์เฝ้าระวังความปลอดภัยด้านผลิตภัณฑ์สุขภาพ สำนักงานคณะกรรมการอาหารและยา ตั้งแต่ปี พ.ศ. 2527-2553 พบรายงานอาการไม่พึงประสงค์จากการใช้ยาชนิดผื่นแพ้ยา_rุนแรง Steven-Johnson syndrome (SJS) และ toxic necrolysis syndrome (TEN) จำนวน 8,962 ราย ซึ่งรายการยาที่สงสัย (suspected drug) ที่ได้รับรายงานมากลำดับต้นๆ หลายรายการพบรายงานการศึกษาว่ามีความสัมพันธ์กับสารพันธุกรรมที่พบมากในคนไทย

รายงานภาวะผื่นแพ้ยา_rุนแรงชนิด SJS/TEN จำนวน 8,962 ราย เป็นรายงานประเภทร้ายแรง จำนวน 6,965 รายงาน โดยทำให้เกิดความพิการและเสียชีวิตจำนวน 15 และ 260 ราย ตามลำดับ รายการยาที่สงสัยที่มีการรายงานมาก 10 อันดับแรก ได้แก่ co-trimoxazole, allopurinol, carbamazepine, Nevirapine containing products, phenytoin, amoxicillin, phenobarbital, ibuprofen, rifampicin และ isoniazid ซึ่งรายการดังกล่าวนี้ มีหลายรายการที่มีรายงานการศึกษาวิจัยที่ระบุว่าการเกิดผื่นแพ้ยา มีความสัมพันธ์กับลักษณะทางพันธุกรรมของผู้ป่วย เช่น

- ยา carbamazepine กับสารพันธุกรรมชนิด HLA-B*1502
- ยา allopurinol กับสารพันธุกรรมชนิด HLA-B*5801
- ยา phenytoin กับสารพันธุกรรมชนิด HLA-B*1502
- ยาที่มีส่วนประกอบ nevirapine กับสารพันธุกรรมชนิด HLA-B*3505
- ยา sulfonamide กับสารพันธุกรรมชนิด HLA-A29, B12 และ DR7

eScience 記事 第7号



人が歩くだけでもわかるカワハ
ギー・ホーラーは、歩くを遊びはじ
めた世界の父。

Key Words: CLT, Clinical Laboratory Technology
ADR, Adverse Drug Reaction
AP, Autonomic Pathology



お名前
姓
名
性別
性別
年齢
年齢
会員登録
会員登録

2011/11/02

最近のトピック

- 日本初のCLT会社買収ホールディングス(MHD)プレスリリース
10月6日 日本最大手の検査センター(SAL)を持つ、からかホールディングス社が725Mドル(約580億円)で米国の病理(AP)検査サービス大手、Care Diagnostics Inc.(CDI)を買収し完全に子会社化。米国でCDIの病理検査を専門的に扱ってきた強みを活かし、病理検査市場への進出に向け、大きな一步を踏み出した。
- deCODE社日本での展開: HIV-deCODEme 検査 目録バイオテク
従来での有効性と実用性が既に確立されている『遺伝子検査』をビジネスとして確立させるに間に合うにが必要だらうか?
6月頃、アイスランドのdeCODE社と米国の23andMe、株式会社により複数の疾患に対するリスク評価システムが行われた。遺伝子検査の実用性を問うる声が絶えない中、9月にはdeCODE社と日本のバイオベンチャー企業であるバイオインフィジション株式会社が業務提携し、50項目の疾患開拓を遺伝子と生涯リスクを判定するサービスを開拓した(右図)。
50項目中、21項目はアジア人で再現性がある。フルスキャナ:115,500円。
- NIH、DARPA、FDA共同で薬安全性評価チップを開発 [GenomeWeb Daily News](#)
9月16日 オバマ大統領が、より優れた技術を求めて薬の有効性・安全性を評価できるチップを開発する予定であると発表した。First-in-human testを行う前に、薬の毒性実験に使用とされる。

セミナー・新製品情報

- 【朗報】HIV-ADR all in one: タイ王国にて社会貢献イノベーション賞
10月上旬、タイ Mahidol 大学 Pharmaceutical Genetics laboratory の Dr. Wasun 助教授(右下図)は、小型遺伝子解析システム(凸版印刷、理研ジ・キシス、理研、Mahidol 大学の共同開発)を使用したタイ人向け HIV-ADR all in one kit の開発成果を見られ、タイ王国イノベーション賞を受賞した(賞金: 20万バーツ)。
HIV 治療薬 Nevirapine による薬疹感受性は、タイ人の白血球タイプの違いに因る遺伝子アレル(HLA-B*3505)に強い相関を示されており、この小型遺伝子型解析システムを用いることにより、遺伝子タイプの違いを簡単に判別し、薬の使い分けが可能となる。同様に、Carbamazepine(抗てんかん)や Abacavir(抗 HIV 薬の併用薬)などの感受性遺伝子検査についても行われており、今後、実用化されれば、多くの国で役立つことになる。また、適切な薬の投与により無駄な医薬費が削減されるため、経済的な負担減も見込める。
- 【セミナー】『PGx バイオマーカーが変える医薬品開発』11月28日
PGx・バイオマーカーが変える医薬品開発。日経バイオテク主催、JPDS 協賛。[詳細](#)
- 【シンポジウム】「患者が支えるバイオバンクとその未来」11月13日
主催者: 文部科学省「オーダーメイド医療実現化プロジェクト」。要事前申込み。[詳細](#)

50項目中、21項目はアジア人で再現性がある。フルスキャナ:115,500円。

- NIH、DARPA、FDA共同で薬安全性評価チップを開発 [GenomeWeb Daily News](#)
9月16日 オバマ大統領が、より優れた技術を求めて薬の有効性・安全性を評価できるチップを開発する予定であると発表した。First-in-human testを行う前に、薬の毒性実験に使用とされる。

C3

セミナー・新製品情報

【朗報】HIV-ADR all in one: タイ王国にて社会貢献イノベーション賞

10月上旬、タイ Mahidol 大学 Pharmaceutical Genetics laboratory の Dr. Wasun 助教授(右下図)は、小型遺伝子解析システム(凸版印刷、理研ジ・キシス、理研、Mahidol 大学の共同開発)を使用したタイ人向け HIV-ADR all in one kit の開発成果を認められ、タイ王国イノベーション賞を受賞した(賞金: 20万バーツ)。

HIV 治療薬 Nevirapine による薬疹感受性は、タイ人の白血球タイプの違いに因る遺伝子アレル(HLA-B*3505)に強い相関を示されており、この小型遺伝子型解析システムを用いることにより、遺伝子タイプの違いを簡単に判別し、薬の使い分けが可能となる。同様に、Carbamazepine(抗てんかん)や Abacavir(抗 HIV 薬の併用薬)などの感受性遺伝子検査についても行われており、今後、実用化されれば、多くの国で役立つことになる。また、適切な薬の投与により無駄な医薬費が削減されるため、経済的な負担減も見込める。

- 【セミナー】『PGx バイオマーカーが変える医薬品開発』11月28日
PGx・バイオマーカーが変える医薬品開発。日経バイオテク主催、JPDS 协賛。[詳細](#)
- 【シンポジウム】「患者が支えるバイオバンクとその未来」11月13日
主催者: 文部科学省「オーダーメイド医療実現化プロジェクト」。要事前申込み。[詳細](#)

ロゴ: バイオインフォビジョン社



取材: 塚原、市川、大澤、梁
編集: 梁、駒木根
修正: 神山(め)

2011/11/02



Experience matters

Intermountain Healthcare treats more heart patients and physicians perform more heart procedures at our hospitals than other Utah healthcare organizations combined.

A non-profit health network in U.S. has recently suggested testing HLA-B*3505 before NVP prescription in Thai descent based on our finding.

Intermountain Healthcare is a nonprofit system of hospitals, surgery centers, doctors, clinics, and homecare & hospice providers that serves the medical needs of Utah and southeastern Idaho. Key medical services include cancer, heart, women and newborns, orthopedics, sports medicine, and more. Learn more by visiting the interactive [Annual Report to the Community for 2009](#).

► **Intermountain News** | New Risk Score Tool Developed in Utah Improves Ability to Predict Patients At Risk for Cardiac Disease and Death, According to...

FEATURES

-  [Health Resource by Topic Library](#)
-  [Classes & events sponsored by Intermountain](#)
-  [Health plan options from SelectHealth](#)



TOOLS **HOSPITALS** **HEALTH RESOURCES**

-  [Find doctors](#)
-  [Find hospitals and clinics](#)
-  [Pay bills online](#)
-  [Email a patient](#)
-  [MyHealth: Access your medical record and more](#)
-  [Online surgery health history forms](#)

Nevirapine Sensitivity

Pharmacologic agent: **Nevirapine** is a non-nucleoside reverse transcriptase inhibitor (NNRTI) with activity against Human Immunodeficiency Virus Type 1 (HIV-1).

WARNING: LIFE-THREATENING (INCLUDING FATAL) HEPATOTOXICITY and SKIN REACTIONS

Hepatotoxicity: Severe, life-threatening, and in some cases fatal hepatotoxicity, particularly in the first 18 weeks, has been reported in patients. Female gender and higher CD4⁺ cell counts at initiation of therapy place patients at increased risk; women with CD4⁺ cell counts > 250 cells/mm³, including pregnant women receiving nevirapine in combination with other antiretrovirals for the treatment of HIV-1 infection, are at the greatest risk.

Skin Reactions: Severe, life-threatening skin reactions, including fatal cases, have occurred in patients treated with nevirapine. These have included cases of Stevens-Johnson syndrome, toxic epidermal necrolysis, and hypersensitivity reactions characterized by rash, constitutional findings, and organ dysfunction.

Pharmacogenomic information: Patients who carry the HLA-B*3505 allele and are of Thai descent appear to be at high risk for developing a hypersensitivity skin reaction to nevirapine¹. This finding needs to be confirmed in additional studies and other populations. The FDA has not changed the label at this time.

Action:

- Screening for the HLA-B*3505 allele could be considered in patients of Thai descent who are being started on Nevirapine. If this is present consideration of an alternative may be appropriate.

Reference & Resources

- Soranun, C. et al. (2009) HLA-B*3505 allele is a strong predictor for nevirapine-induced skin adverse drug reactions in HIV-infected Thai patients. *Pharmacogenet Genomics*. 19:139-46.

News

Genetic marker predicts fat loss due to d4T in Thai patients

SIDE-EFFECTS

Keith Alcorn

Published: 26 January 2010

A genetic marker can predict with a high level of accuracy whether Thai patients receiving antiretroviral therapy that contains d4T (stavudine) will develop lipoatrophy (subcutaneous fat loss) as a result of treatment, researchers from Thailand and Japan report in *Clinical Infectious Diseases* this week.

Lipoatrophy – fat loss from the limbs, face and buttocks - is a frequent side-effect of antiretroviral therapy that contains d4T, and to a lesser extent AZT (zidovudine).

Around 40% of patients develop this side-effect after two to three years of treatment, and for this reason d4T has been dropped as a component of first-line treatment in Europe, North America and other well-resourced settings.

However d4T remains a component of first-line therapy for several million people in low and middle-income countries. Despite a WHO recommendation to move away from the use of d4T, some countries – including South Africa and Thailand – retain the drug as a component of first-line treatment due to its low cost.

Pharmacogenomic studies have recently shown linkages between particular genetic variants and the side-effects of abacavir and nevirapine. The study reported this week set out to examine whether any genetic variant is associated with the development of lipoatrophy.

Researchers at Mahidol University in Bangkok, and the Center for Genomic Medicine in Tokyo, who had previously conducted a study of genetic predictors for nevirapine-associated rash, were able to use genetic sequencing information from 103 patients receiving antiretroviral therapy.

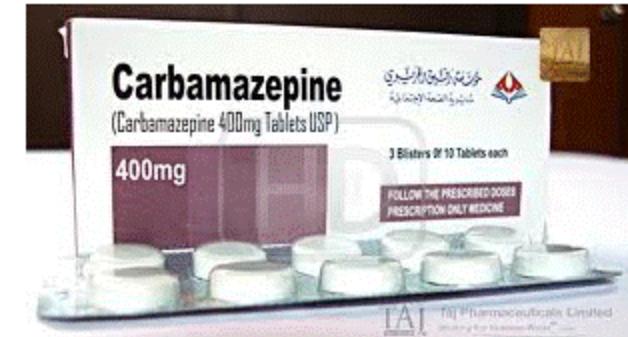
Around 40% of patients develop this side-effect after two to three years of treatment, and for this reason d4T has been dropped as a component of first-line treatment in Europe, North America and other well-resourced settings.

However d4T remains a component of first-line therapy for several million people in low and middle-income countries. Despite a WHO recommendation to move away from the use of d4T, some countries – including South Africa and Thailand – retain the drug as a component of first-line treatment due to its low cost.



โครงการนำร่อง

“การป้องกันผู้แพ้ยา/run แรงๆ นิด Steven-Johnson syndrome (SJS) และ Toxic epidermal necrosis syndrome (TENS) จากยา Carbamazepine/Oxcarbamazepine ด้วยการประเมินความเสี่ยงทางพันธุกรรมชนิด HLA-B*15:02 allele”



หลักการและเหตุผล

กลุ่มอาการสตีเวนจohนสัน (Steven-Johnson syndrome, SJS) และกลุ่มอาการ Toxic epidermal necrosis syndrome (TENS) คืออาการแพ้ยาหรืออาการอันไม่พึงประสงค์จากการใช้ยา (adverse drug reaction, ADR) ที่รุนแรงและทำให้ผู้ป่วย มีโอกาสพิการและเสียชีวิตมากถึงร้อยละ 30 [1] ผู้ที่แพ้ยาลักษณะดังกล่าวจะมีผื่นเกิดขึ้นที่ผิวนังและเยื่อบุทั่วร่างกาย มีการอักเสบที่รุนแรงทำให้ผิวนังตายและหลุด落去 ผู้ป่วยส่วนใหญ่จะต้องเข้ารับการรักษาในโรงพยาบาลเป็นระยะเวลาหนานาน ทำให้การรักษาภาวะแพ้ยา SJS/TENS มีค่าใช้จ่ายสูงเฉลี่ย 46,680 บาทต่อราย นอกจากนี้ผู้ป่วยยังต้องพักรักษาตัวหลังออกจากโรงพยาบาลอีกเป็นเวลาหลายเดือน จากข้อมูลของศูนย์เฝ้าระวังความปลอดภัยด้านผลิตภัณฑ์สุขภาพ สำนักงานคณะกรรมการอาหารและยาพบว่า ระยะเวลา 10 ปีที่ผ่านมา ในประเทศไทย มีผู้ป่วยแพ้ยาแบบ SJS/TENS ประมาณ 5,000 ราย โดยรายการยาที่ส่งสัญญาเป็นสาเหตุและได้รับรายงานมากเป็นลำดับต้นๆ ได้แก่ ยา sulfamethoxazole+trimethoprim (co-trimoxazole), carbamazepine, allopurinol, nevirapine และ phenytoin [2]





โครงการเภสัชพันธุศาสตร์ และชีวสารสนเทศ

Pharmacogenomics and Bioinformatics Department of Pathology

02-200-4331, 02-201-1380-1390

สั่งตรวจ	รหัสการทดสอบ	ข้อการทดสอบ	ราคา (บาท)
<input type="checkbox"/>	400287	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อปรับขนาดยา Clopidogrel (CYP2C19)	2000
<input type="checkbox"/>	400289	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อปรับขนาดยา Warfarin (CYP2C9 / VKORC1)	3000
<input type="checkbox"/>	400288	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อบ่งชี้การแพ้ยา Nevirapine (HLA-B*3505)	2000
<input type="checkbox"/>	400286	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อบ่งชี้การแพ้ยา Carbamazepine, Phenytoin (HLA-B*1502)	2000
<input type="checkbox"/>	400285	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อบ่งชี้การแพ้ยา Abacavir (HLA-B*5701)	2000
<input type="checkbox"/>	400284	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์เพื่อบ่งชี้การแพ้ยา Allopurinol, Lamotrigine (HLA-B*5801)	2000
<input type="checkbox"/>	400276	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP1A2 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400277	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP2A6 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400278	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP2B6 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400279	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP2C19 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400280	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP2C9 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400281	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP2D6 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400282	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP3A4 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400283	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์ CYP3A5 polymorphisms (งานวิจัย)	2000
<input type="checkbox"/>	400291	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์บ่งชี้การแพ้ยาชนิดรุนแรง (HLA - B genotype)	4700
<input type="checkbox"/>	400290	การตรวจเกลือพันธุศาสตร์สำหรับยีน TMPT	2000
<input type="checkbox"/>	400294	การ Sequencing ด้วย pyrosequencer	2500
<input type="checkbox"/>	400293	การตรวจ SNP ด้วย pyrosequencer	2500

มีข้อสงสัยการสั่งตรวจโปรดติดต่อ อาจารย์ชลวัทร สุขเกษม โทร 02-200-4331-2, 02-201-1380-1390 แฟกซ์ 02-200-4331

ห้องปฏิบัติการเกลือพันธุศาสตร์และการรักษาเฉพาะบุคคล ชั้น 4 ศูนย์การแพทย์สมเด็จพระเทพรัตน์ ภาควิชาพยาธิวิทยา คณะแพทยศาสตร์โรงพยาบาลรามาธิบดี



ห้องปฏิบัติการเภสัชพันธุศาสตร์และการรักษาเฉพาะบุคคล
Laboratory for Pharmacogenomics and Personalized Medicine



ชั้น 4 ศูนย์การแพทย์สมเด็จพระเทพรัตน์ ภาควิชาพยาธิวิทยา คณะแพทยศาสตร์ โรงพยาบาลรามาธิบดี

โทร 02-200-4331-2, 02-201-1380-1390 แฟกซ์ 02-200-4332

Floor 4 Somdech Phra Debaratana Medical Center, Department of Pathology, Faculty of Medicine, Ramathibodi Hospital

Tel. 662-200-4331-2, 662-201-1380, 1390 Fax 662-200-4332

<input type="checkbox"/>	-	<p>AmpliChip CYP 450</p> <p>**กรุณาระบุวัตถุประஸงค์เพิ่มเติมเพื่อคำแนะนำที่เป็นประโยชน์สูงสุดจากเภสัชกร</p> <ul style="list-style-type: none"><input type="checkbox"/> เพื่อเป็นข้อมูลในการเลือกใช้ยาเมื่อจำเป็น<input type="checkbox"/> เพื่อเป็นข้อมูลใช้ยา Tamoxifen<input type="checkbox"/> เพื่อเป็นข้อมูลใช้ Psychiatric drug เช่น Aripiprazole, Atomoxetine, Amitriptyline<input type="checkbox"/> เพื่อเป็นข้อมูลใช้ Cardiology drug เช่น Carvedilol, Metoprolol<input type="checkbox"/> อื่นๆ	20,000
<input type="checkbox"/>	-	<p>การตรวจวัดระดับยาในกระแสเลือด (HPLC)</p> <p>**กรุณาระบุวัตถุประஸงค์เพิ่มเติมเพื่อคำแนะนำที่เป็นประโยชน์สูงสุดจากเภสัชกร</p> <ul style="list-style-type: none"><input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Stavudine (d4T)<input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Lamivudine (3CT)<input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Nevirapine (NVP)<input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Efavirenz (EFV)<input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Risperidone<input type="checkbox"/> ตรวจวัดระดับยา Voriconazole <div style="border: 1px solid black; padding: 5px;"><p>**กรุณาระบุข้อมูล ขนาดยาที่รับประทาน..... วันที่เริ่มยา..... วันที่จะเลือดส่งตรวจ..... เวลาที่จะเลือด.....</p></div>	1,000



ห้องปฏิบัติการเภสัชพันธุศาสตร์และการรักษาเฉพาะบุคคล
Laboratory for Pharmacogenomics and Personalized Medicine



ชั้น 4 ศูนย์การแพทย์สมเด็จพระเทพรัตน์ ภาควิชาพยาธิวิทยา คณะแพทยศาสตร์ โรงพยาบาลรามาธิบดี

โทร 02-200-4331-2, 02-201-1380-1390 แฟกซ์ 02-200-4332

Floor 4 Somdech Phra Debaratana Medical Center, Department of Pathology, Faculty of Medicine, Ramathibodi Hospital

Tel. 662-200-4331-2, 662-201-1380, 1390 Fax 662-200-4332

แบบฟอร์มการสั่งตรวจทางเภสัชพันธุศาสตร์และการรักษาเฉพาะบุคคล

ชื่อ-สกุล:

Patient Name:

เลขประจำตัวผู้ป่วย:

HN/ID:

ประเภทสิ่งตรวจ: EDTA Blood 3-6 ml. 1 หลอด

Specimen type:

แพทย์ผู้ส่งตรวจ:

Clinician:

โปรดระบุชนิดของยาที่จะใช้ในการรักษา :

Drug identification:

อายุ:

Age:

ปี

Yrs.

เพศ:

Gender:

หน่วยงานที่ส่งตรวจ:

Source/Ward:

วันที่ส่งตรวจ:

Ordered data:

เบอร์ติดต่อ (Tel):



ห้องปฏิบัติการเภสัชพันธุศาสตร์และการรักษาเฉพาะบุคคล
Laboratory for Pharmacogenomics and Personalized Medicine

ชั้น 4 ศูนย์การแพทย์และพัฒนาการวิทยาศาสตร์ คณะแพทยศาสตร์ โรงพยาบาลรามาธิบodi

โทร 02-200-4331-2, 02-201-1380-1390 แฟกซ์ 02-200-4332

Floor 4 Somdech Phra Debaratana Medical Center, Department of Pathology, Faculty of Medicine, Ramathibodi Hospital
Tel. 662-200-4331-2, 662-201-1380, 1390 Fax 662-200-4332



อายุ : 34	ปี/เดือน	เพศ :	ชาย
หน่วยงานที่ส่งตรวจ :	SDOMDOS (เจตคิลล์)		
วันที่ส่งตรวจ (Request date) :	23 มีนาคม 2555		
วันที่ออกผล (Report date) :	27 มีนาคม 2555		
บริษัท เทียบเท่าบูรณาคุณ	เยอรมนี (Tel) :		

PHARMACOGENETICS OF CYP 450 (CYP2B6), HLA-B Genotype และ HPLC for Efavirenz

CYP 450 Gene :	CYP 2B6
Genotype :	CYP 2B6*6/*6 + homo mutant g.3003CC + g.18492CC + g.21563TT
Predicted Phenotype :	Poor Metabolizer (PM)
Suggestion :	ผู้ป่วยมีอัตราการย่อยยา efavirenz น้อยกว่าคนทั่วไป ส่งผลให้อาจมีภาวะป่วยในกระเพาะเสื่อมถูกกว่าระดับการรักษา (1,000-4,000 ng/mL) ดังนี้นั่นจึงมีโอกาสเกิดอาการไม่พึงประสงค์จากการใช้ยา efavirenz (CNS toxicity; Dizziness, Insomnia, Hallucinations, Acute mania and Psychosis) ดังนั้นควรพิจารณา "ไม่พึงประสงค์จากยา" ของยาในรายนี้ หากพบว่าผู้ป่วยไม่สามารถทนต่อยาให้อาจพิจารณาปรับลดขนาดยาลงกว่ามาตรฐาน โดยอาจต้องมาระยะที่สอง efavirenz ในกระเพาะเสื่อมถูกน้อยลง เพื่อป้องกัน efavirenz sub-optimal level
Drug Level:	Efavirenz plasma level
Drug concentration in blood:	4,246 ng/mL
Reference Therapeutic Index [1, 2]	1,000 – 4,000 ng/mL
การวิเคราะห์ผล	จากการวิเคราะห์ที่ระยะที่สอง efavirenz ในกระเพาะเสื่อมถูกน้อยกว่าที่ควรจะเป็น พบว่าผู้ป่วยรายนี้ มีระดับยาคงคล่องสูงเกินขั้นของการรักษา ดังนั้นคาดว่าผู้ป่วยรายนี้มีภาวะป่วยในกระเพาะเสื่อมถูกน้อย (Over dose) ซึ่งสาเหตุอาจเนื่องมาจากการความติดมากของยีน CYP2B6 ในผู้ป่วยรายนี้ ซึ่งอาจมีอิทธิพลบทสำคัญในการเปลี่ยนแปลงยาหลาชานิด เช่น ยาต้านไวรัส (Anti-HIV drugs; Efavirenz, Nevirapine)

PGX Interpretation

เลขที่ใบประกาศนียพ

เลขที่ใบประกาศนียพ

ภาคฯ ยลลักษ

ศุภเรช

ก.๐๑๒๓๖

หนุมานเชื้อรา

น.๔.๓๗๙๗

กัญชาก

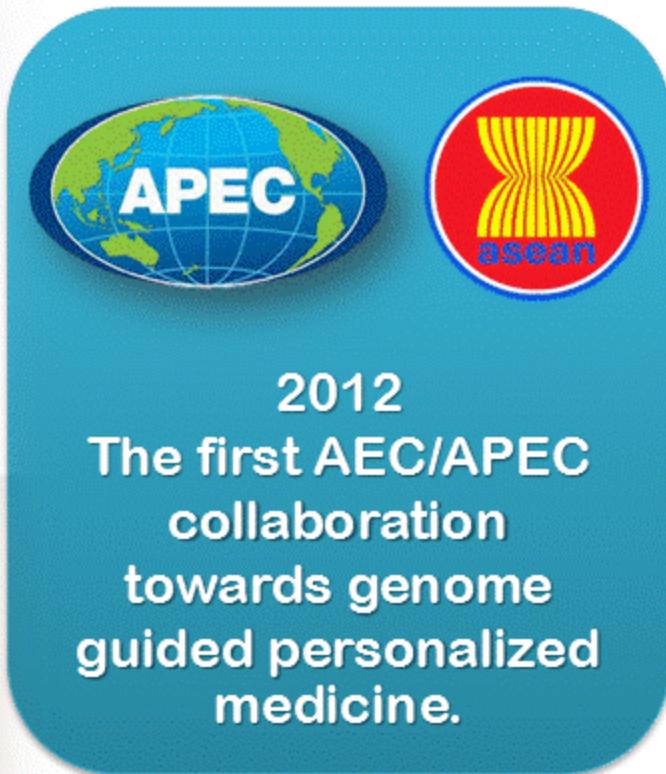
ปิติพิชัย

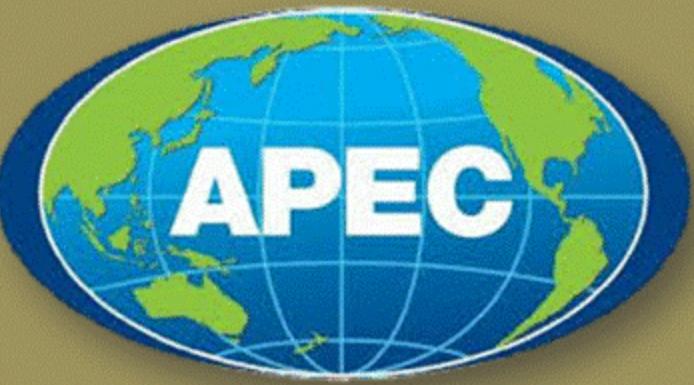
ก.๑๐๑๒๒

หนพญนกชากุล อัญมิ

น.๔.๓๗๙๗







2013

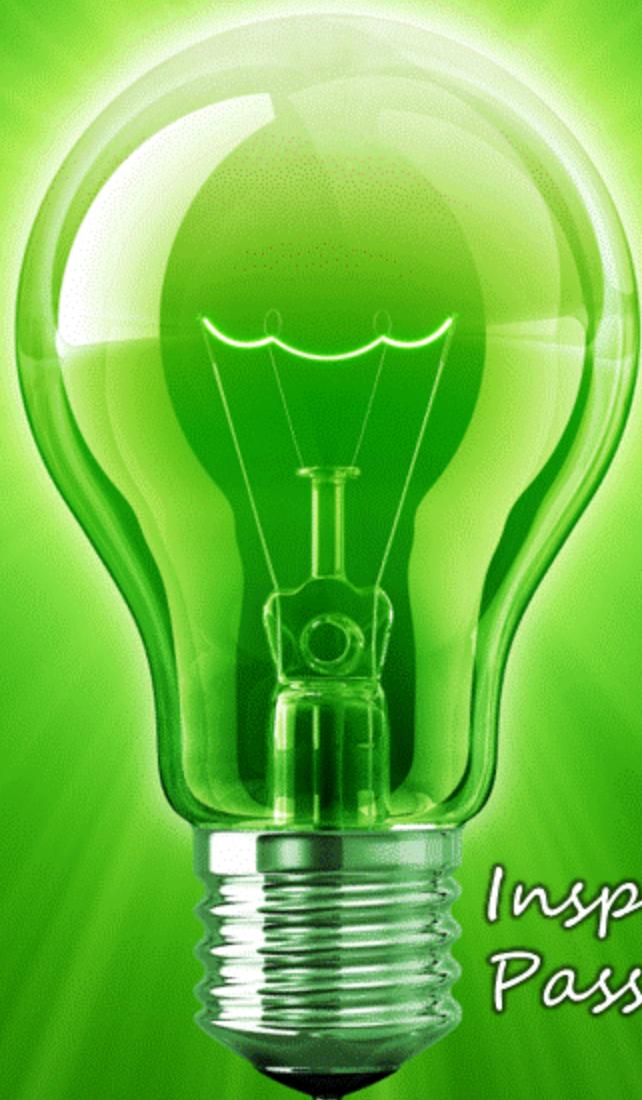
The Second AEC/APEC collaboration towards
genome guided personalized medicine.

2014

will be held in Indonesia

**2554/
2011**

**Completion of the
first draft of the
genome sequence
of the normal
healthy Thai male**



*Inspiration/
Passion*

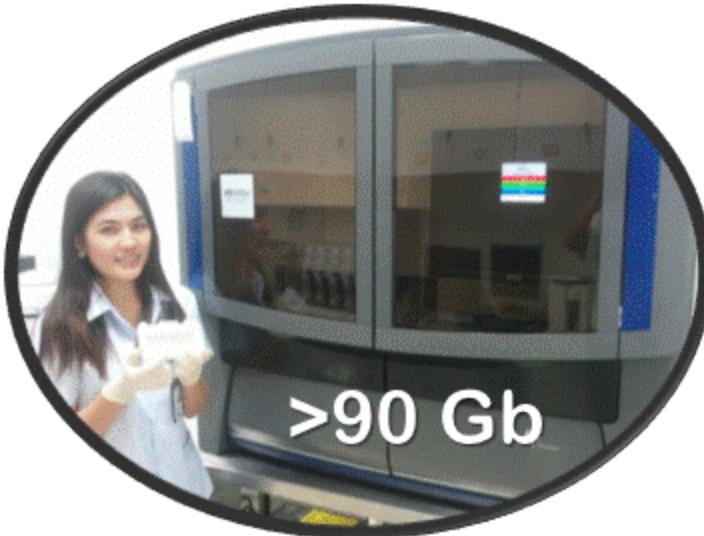


Decoding the Thai Genome Project

វិន័យទី 12 មករា ឆ្នាំ 2554 08:31 ន.ប.

ព័ត៌មាន TCELS

May 12 2011



SOLID 5500XL

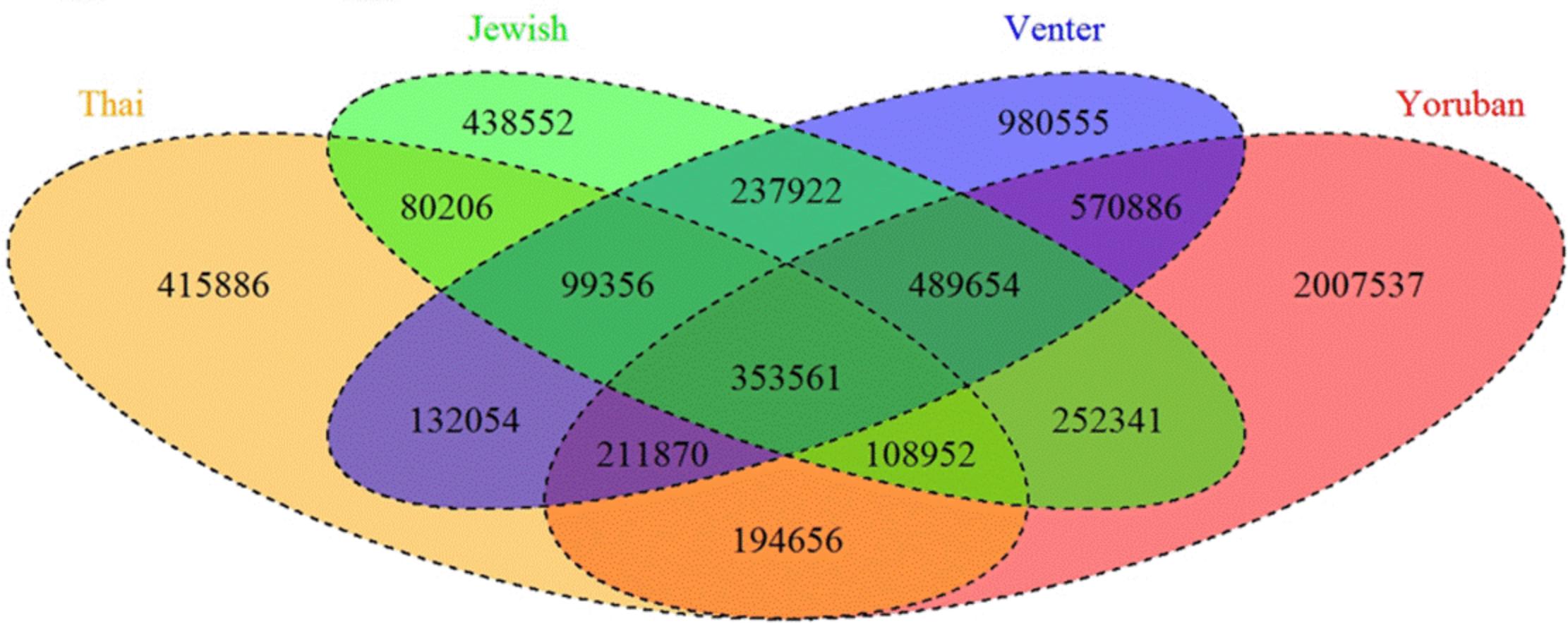


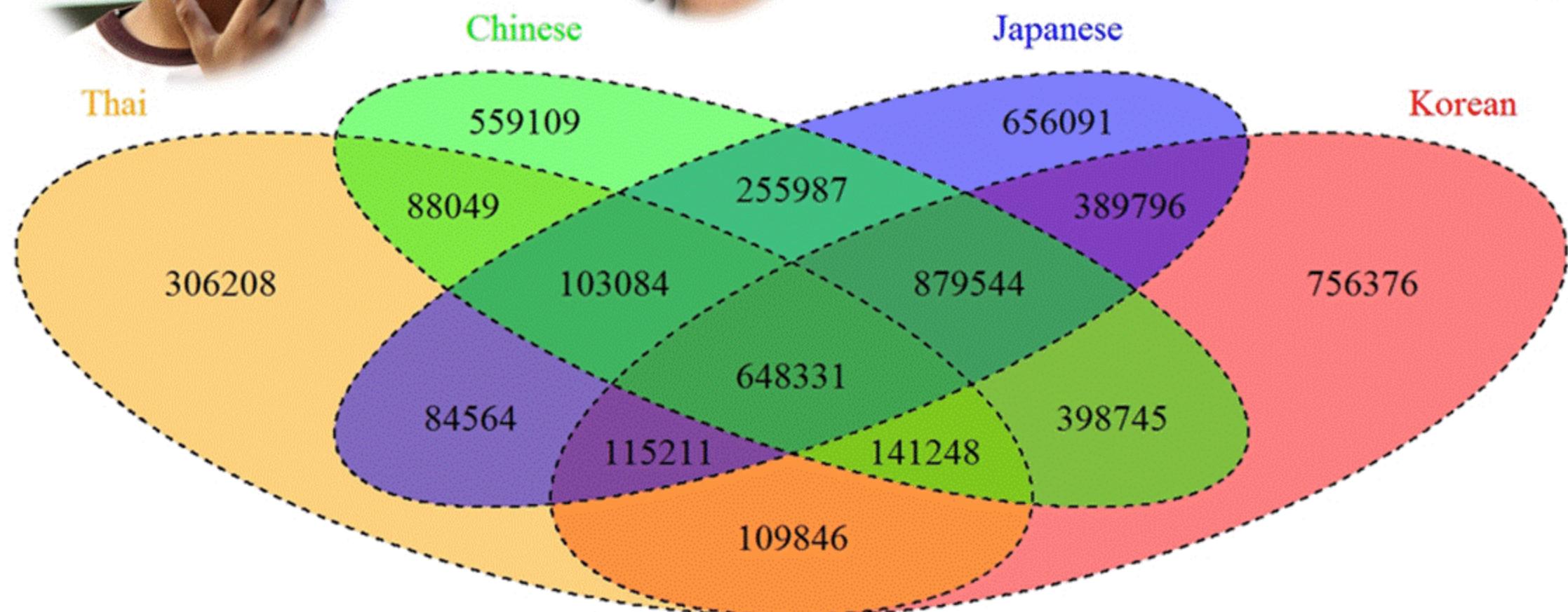
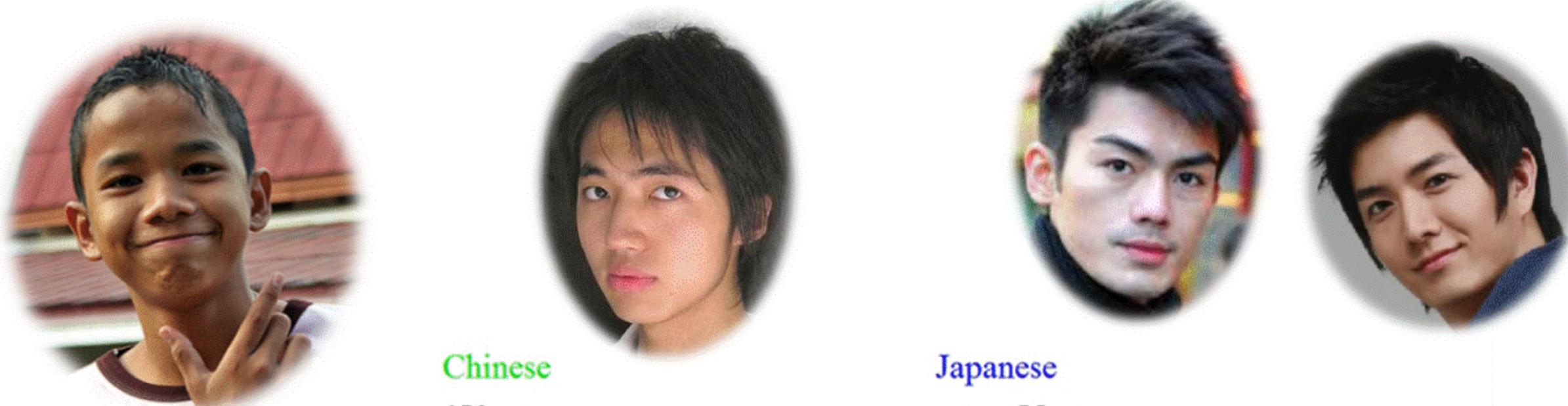
From June 2011, the Virology Unit and Laboratory for Pharmacogenomics and Personalized Medicine, Department of Pathology, Faculty of Medicine Ramathibodi Hospital, Mahidol University, with support from the Thailand Center of Excellence for Life Sciences (TCELS), will collaborate jointly to decode the human genome (whole genome sequencing) of three billion bases of an anonymous, healthy Thai male donor as a model for further study of DNA changes (DNA variant).

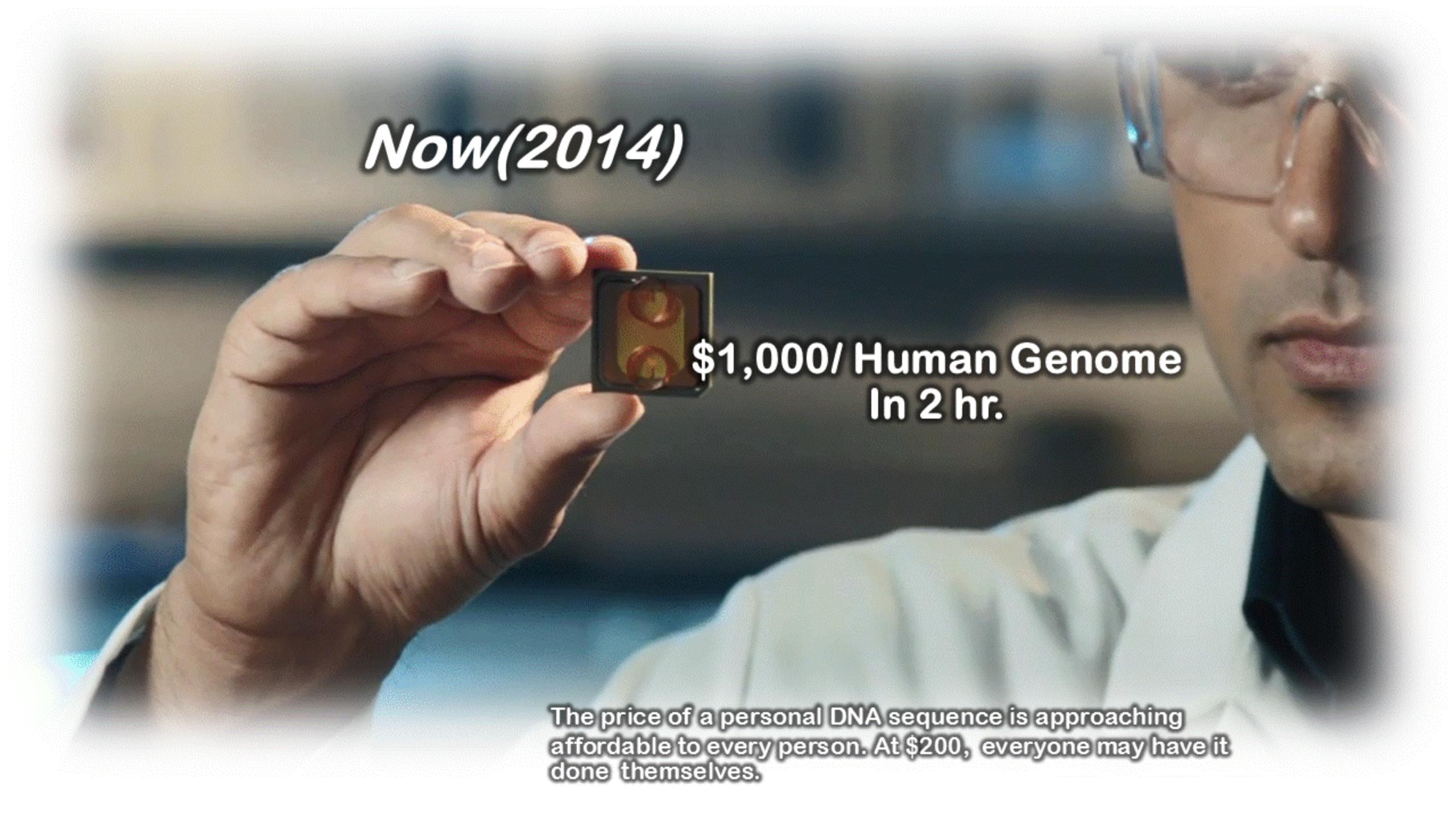
Dr. Wasun Chantratita, project leader made the announcement that this genome will be compared latter with genomes of various persons who have different diseases, including those that are common and rare. The two main objectives of this project are, firstly, to locate the DNA variant(s) on the genome, which is associated strongly with disease. That genomic maker can then be developed into a set of genetic screening tests at a low cost. If the test results (from the laboratory) are positive, it will mean that the person is at high risk of the diseases in the future. However, the risk may be reduced if these people get regular medical checkups, change or modify their behavior regarding diet or their environment. In children, they are often given a "failure to thrive" diagnosis for an unknown disorder. "Sequencing those genomes will be a key hint to how to treat them properly.

The second objective is to determine the genome of patients for which current therapy does not work properly (difficult to treat). By sequencing their genomes and submitting the DNA variants to the special computational biology program based on computer simulations developed by Dr. Ram Samudrala and his team from the University of Washington, United States of America to identify all approved drugs that can bind to the disease target protein structures which are caused by DNA variants and somehow malfunction in ways that lead to damage and disease in the body. The drug(s) can be picked up and used to replace the medication that did not work in the first place (personalized medicine).

The outcome of the project will finally help both the government and patients regarding effective treatment and reduction of medical expenditure and unnecessary laboratory diagnostic assays. The development of special computational biology program has been supported by the National Institutes of Health (NIH) fund, United States of America.





A close-up photograph of a scientist's hands. The scientist is wearing a white lab coat and glasses. They are holding a small, dark rectangular object, which appears to be a DNA sequencing chip or a similar microarray, between their fingers. The background is blurred, showing what looks like laboratory equipment.

Now(2014)

**\$1,000/ Human Genome
In 2 hr.**

The price of a personal DNA sequence is approaching affordable to every person. At \$200, everyone may have it done themselves.



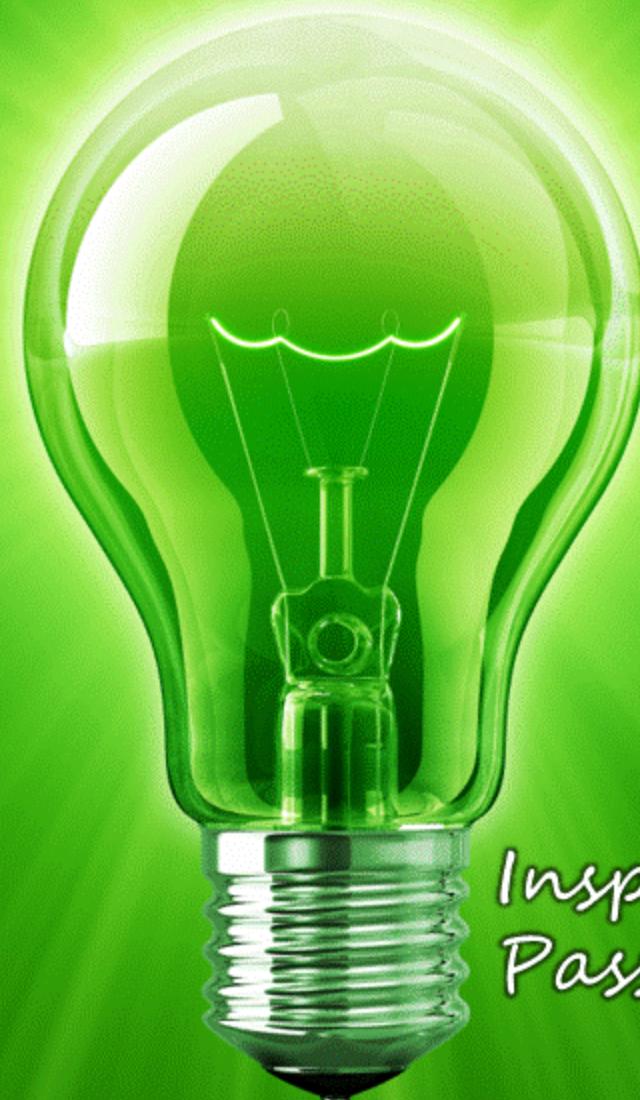
**2556/
2013**

**Medical
Genomic
Center**

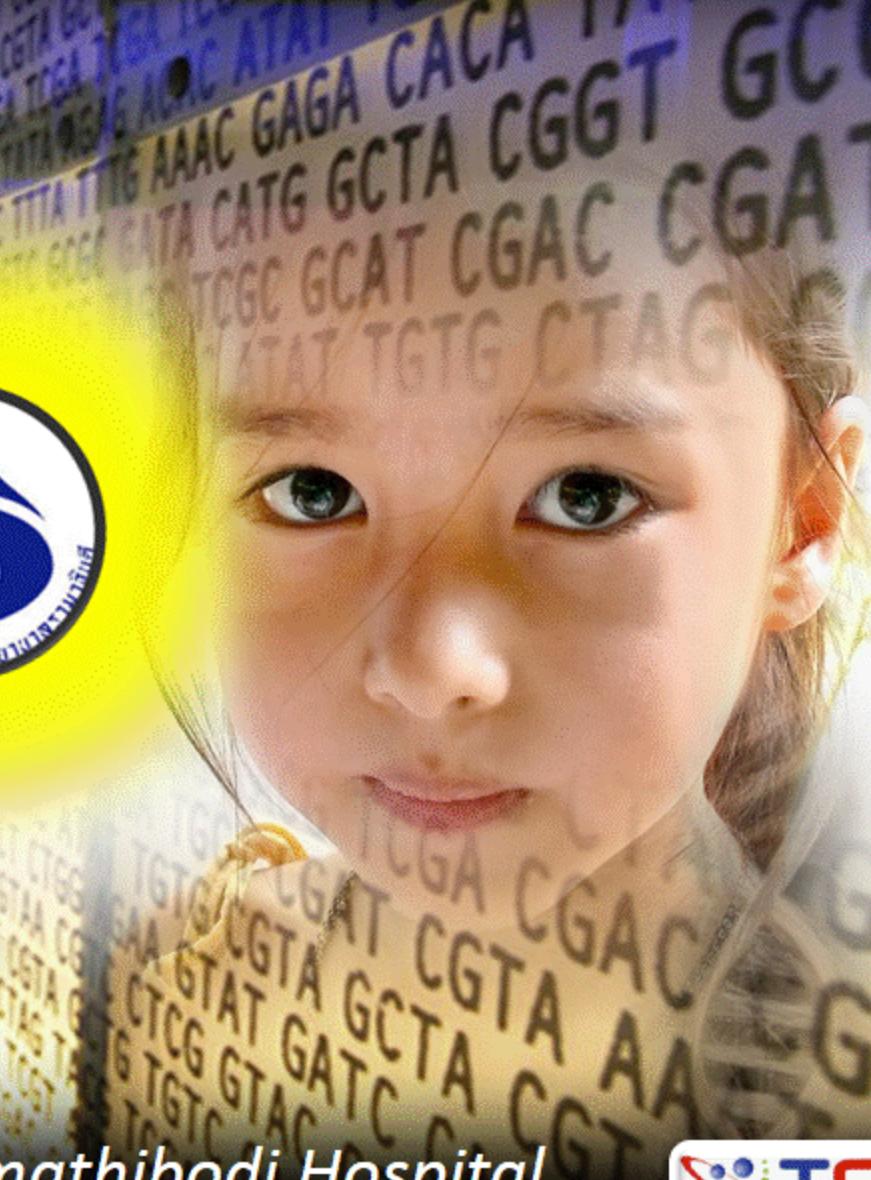
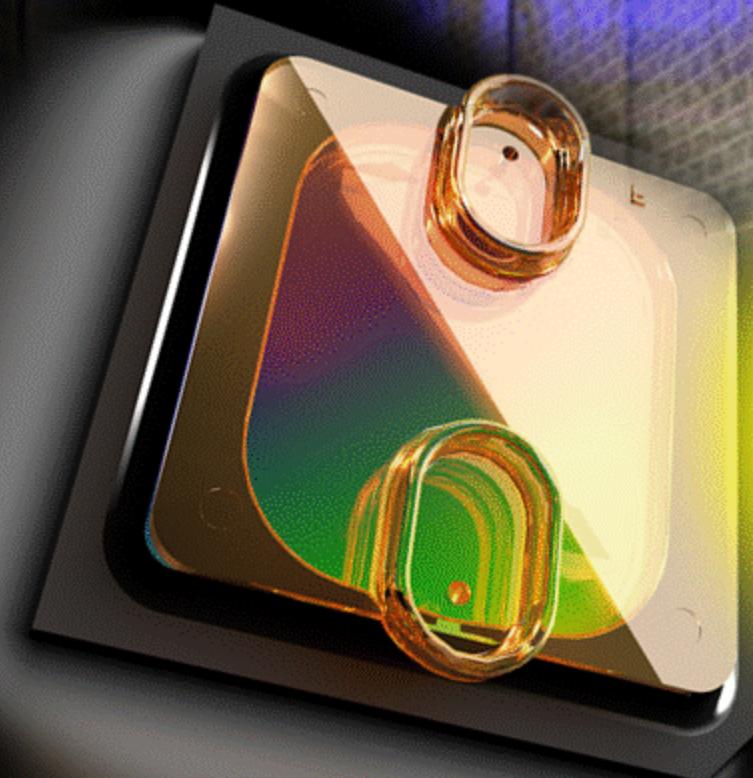


**2557/
2014**

**Towards
Democra-
tization of
Sequencing**



*Inspiration/
Passion*



Medical Genomic Center, Ramathibodi Hospital

Partly supported by





Ramathibodi Hospital Mahidol University

Pilot project for Genomic Medicine
in Thailand



University based and tertiary care Hospital

Total bed 1378 beds

Short stay service 40 beds
(for chemotherapy, IV fluid and blood transfusion)

Medical Faculty 600 persons

Medical Oncology Faculty 8 persons
(The biggest medical oncology unit in Thailand)

Short Stay Unit and Examination Room



Single Target

PCR (1-3 targets)

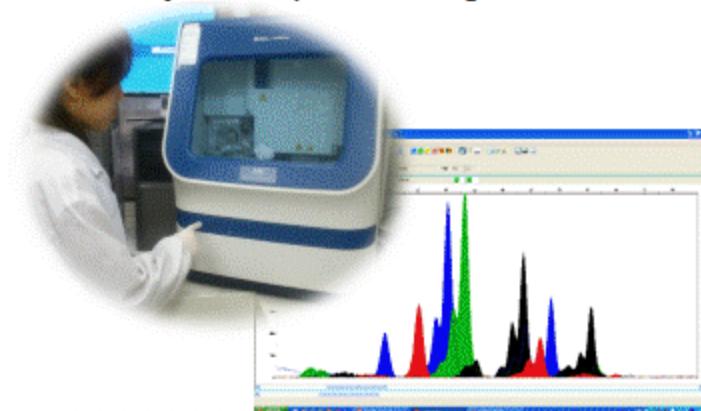


High Throughput Real-time PCR

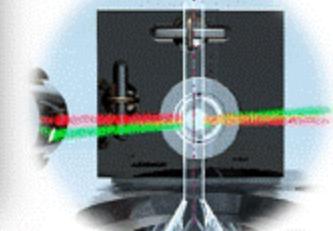


Multiple Known Targets

The SNaPshot® Multiplex System up to 10 targets



Luminex Multiplexing hybridization of up to 100 unique assays within a single sample



Unknown or Too Many Known Targets



Affordable, Scalable, and Fast

Next-Gen Sequencers towards democratization of sequencing

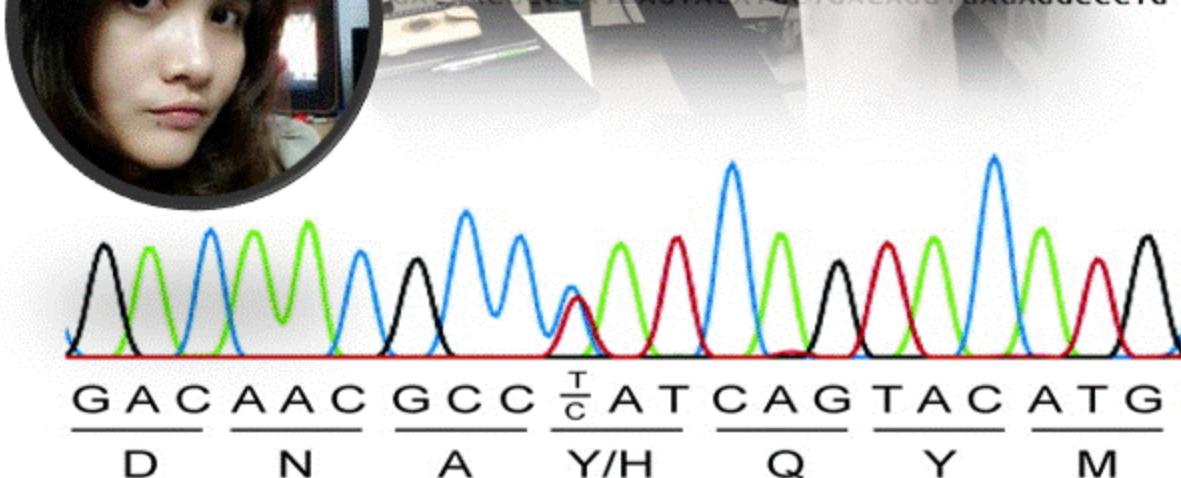


The High Performance Data Analysis System

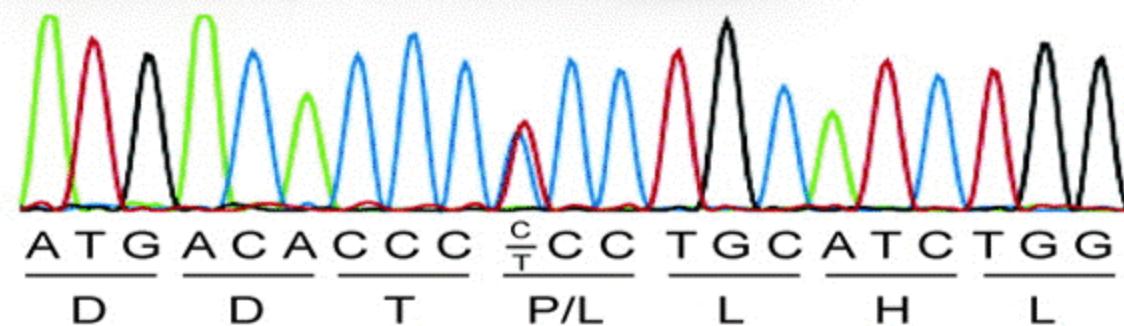
ATCGGGCGTAGTGCGAT

Small Bioinformatics Team from Life Scientists

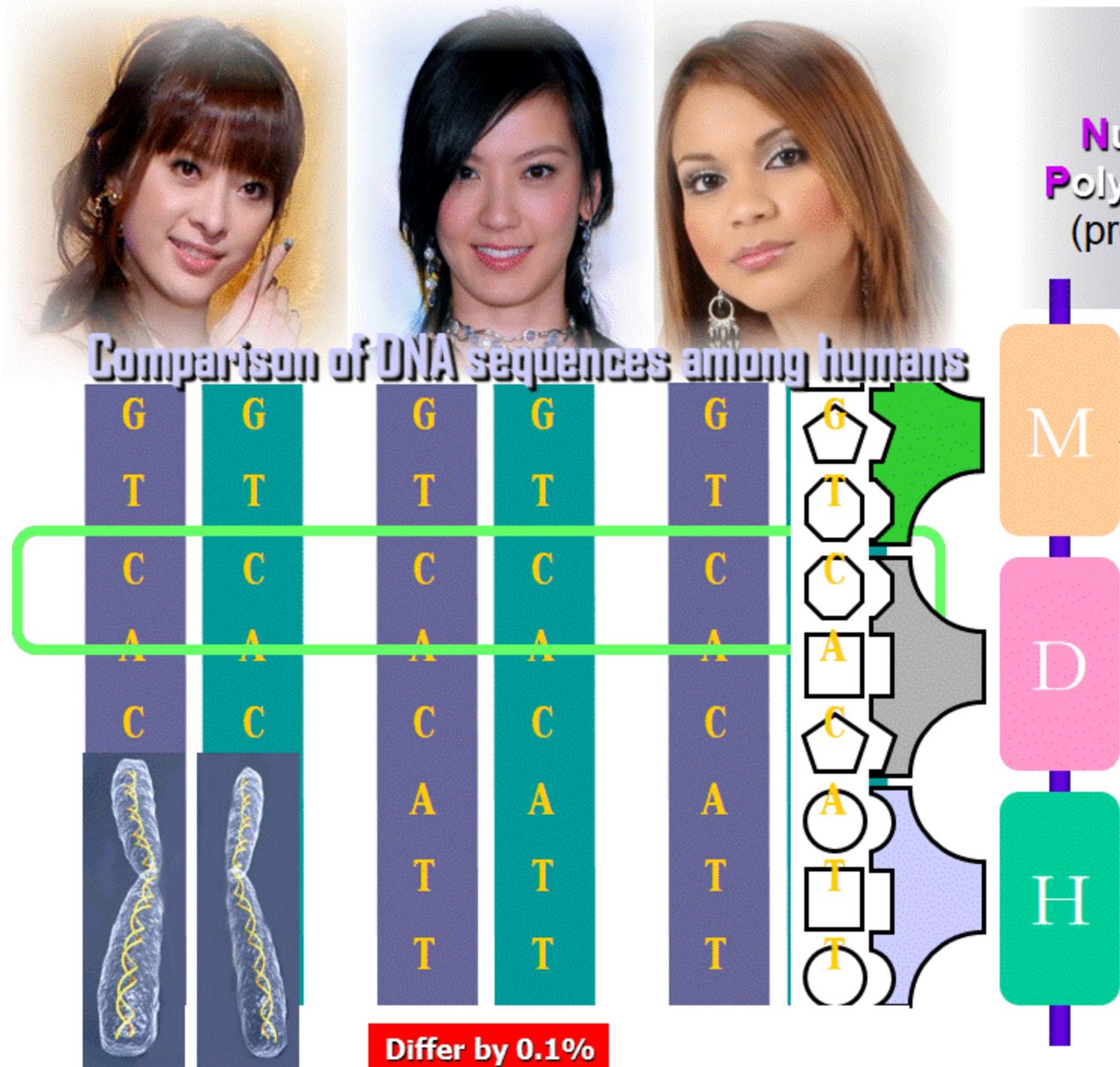
A photograph of four scientists in white lab coats standing behind a DNA sequencing machine. The machine is a large, light-colored unit with a control panel and a small screen. The scientists are positioned in front of a wall covered with a repeating sequence of DNA base pairs: CCCACATCTTCTCCATCTCGACAAACGCCCTATCAGTACATGCTGACAGGTGAGAGGGAA. The sequence is repeated multiple times across the wall. The scientists are looking towards the camera. In the bottom left corner of the image, there is a partial view of a person's face, showing dark hair and eyes.



A composite image featuring a laboratory scene and a portrait. On the left, two researchers in white lab coats are working at a bench. One is pointing at a computer screen displaying a DNA sequence, while the other looks on. The bench is equipped with various pieces of laboratory equipment, including a gas cylinder, a spectrophotometer, and a large white sequencer. On the right, a circular portrait of a young man with short dark hair, wearing a dark blue blazer over a light-colored shirt, is superimposed. He has a yellow emblem on his left chest. Above the portrait, a vertical column of DNA sequence data is displayed in a color-coded format (blue, green, red, black) corresponding to the A, T, C, and G bases respectively.



SNP =
Single
Nucleotide
Polymorphism
(pronounced
snips)



M Amino Acid

Entire Human Genome= 3 Bb
Differ by 0.1%
SNP = 3 Mb

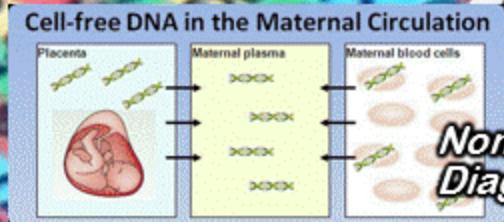
Exome (1% of human genome)
=30 Mb

But accounts for over 85% of all mutations identified in Mendelian disorders.

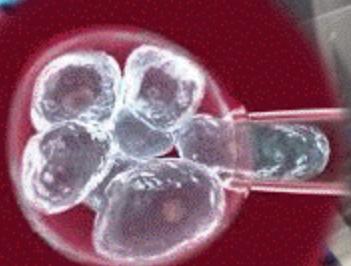
MGC: 5 Year project plan for 2013-2017



TCELS
ศูนย์ความเป็นเลิศด้านวิทยาศาสตร์ชีวภาพ (องค์กรมหาชน)
Thailand Center of Excellence for Life Sciences (Public Organization)



Noninvasive Prenatal Diagnosis Using NGS



PGD/PGS

"The prospect of using the genome as a universal diagnostic is upon us today."

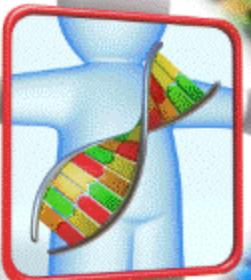
Richard Resnick

**NGS Cancer Panels;
Targeted therapies**

**Prenatal Dx based
on NGS**



**Newborn Screening
based on NGS**



**Genetically
Inherited Diseases**

**Viral Deep Sequencing to Detect
Emerging Drug Resistance (HIV,
HBV, HCV)**

**Unknown Pathogen, Emerging and
Re emerging infectious diseases**

Projects:

Clinical Exome Sequencing

Clinical Whole Genome Sequencing

Pre-Implatation Genetics Diagnosis/Screening (PGD/PGS)

CNV Anueploidy Analysis

Non-Invasive Fetal Trisomy (NIFTY)

NGS panels for inherited diseases & cancers;

Monogenic Diseases

Hereditary Cancers

Hereditary Breast Cancer/Ovarian Cancer

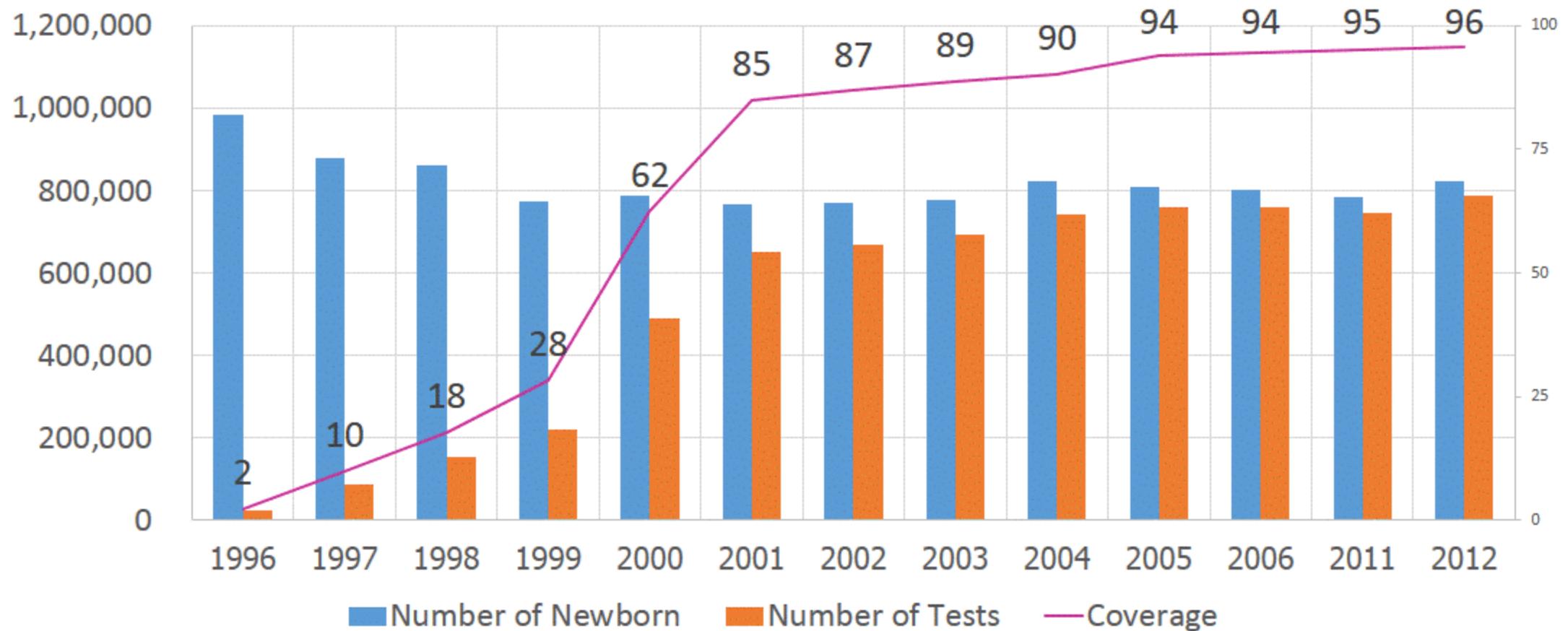
Hereditary Colorectal Cancer

Bile Duct Cancer (Cholangiocarcinoma)

Clinical Trials for Cancer Therapies

HIV, HBV, HCV Deep Sequencing for Genotyping and Drug Resistance Assays

Neonatal Screening program for TSH and PKU





Dr. Objoon Trachoo, MD, Ph.D.

Clinical Molecular Geneticist

Candidates for Rare Genetic Diseases Exome Sequencing, updated on April 2012

Family Number	Clinical data	Previous genetic testing	No. of DNA in family	Proposed mode of inheritance
001	Neonatal hepatitis caused?, systemic polyarthritis, learning difficulty	Normal chromosome, normal plasma amino acid and urine organic acid profiles	Affected Female twins x 2, normal mother x 1	Autosomal recessive VS sporadic
002	Sensorineural hearing loss, chronic kidney disease	DNA sequencing for connexin26 and pendrin- no mutations	Affected x 3 (father and 2 sons), normal x 2 (mother and daughter)	Autosomal dominant
003	Hemihypotrophy, ichyosis, learning difficulty	NSDHL sequencing- no mutations	Affected x 1, normal mother x 1	Autosomal recessive VS sporadic
004	Hypogonadotropic hypogonadism, characteristic facial features, dental anomalies, learning difficulties	Array CGH- negative, PROP1 sequencing- no mutations	Affected x 1, normal mother and sister x 2	Autosomal recessive VS sporadic
005	Exercise intolerance, cramping, myopathy, short stature	Normal chromosome, normal plasma amino acid profile, normal plasma acyl-carnitine profile, normal CPT2, PYGM and AMPD1 sequencing	Affected x 1, normal mother and sister x 2	Autosomal recessive VS sporadic
006	Bilateral renal cysts in young age, renal cell carcinoma	Normal VHL sequencing	Affected x 2 (mother and son), normal father x 1	Autosomal dominant
007	Generalized muscle wasting, normal EMG	Normal GAA assay, normal dysferlin sequencing, no SMA exon 7,8 deletion	Affected x 1, normal mother x 1	Autosomal recessive VS sporadic
008	Tremor, ataxia, scanning speech	Normal SCA1,2,3,6,7,DRPLA,FMR1	Affected x 3 (mother and 2 sons), normal x 2 (father and daughter)	Autosomal dominant
009	Generalized muscle wasting	Normal GAA assay, normal dysferlin sequencing, no SMA exon 7,8 deletion	Affected x 2 (sister and brother), normal x 2 (parents)	Autosomal recessive
010	Hypoventilation of unknown cause with history of 1 st cousin consanguinity	Normal GAA assay	Affected x 1, normal x 2 (parents)	Autosomal recessive
011	Myopathy	Normal GAA assay	Affected x 3 (brother and sisters), normal x 2 (parents)	Autosomal recessive

Family Number	Clinical data	Previous genetic testing	No. of DNA in family	Proposed mode of inheritance
012	Chronic kidney diseases	Normal COL4A5, COL4A4, COL4A3 sequencing	Affected x 2 (mother and son), normal x 3 (father, brother, sister)	Autosomal dominant
013	Gouty arthritis in the young, suspected MSK	Normal HPRT sequencing	Affected x 3 (father, son, daughter), normal x 1 (mother)	Autosomal dominant
014	Chronic liver disease in the young of the consanguineous parents	Plasma amino acid- not definite	Affected x 1 (daughter), normal parents x 2	Autosomal recessive
015	Exercise intolerance, cramping of unknown cause	Normal GAA assay, normal plasma acylcarnitine profile, normal AMPD1, CPT2, PYGM sequencing	Affected x 1, normal parents x 2	Autosomal recessive VS sporadic
016	Neuropathy, myopathy since early childhood	No SMA exon 7,8 deletion	Affected x 1, normal mother x 1	Autosomal recessive VS sporadic
017	Short stature, mental retardation, characteristic facial features	Normal chromosome	Affected x 1, normal mother x 1	Autosomal recessive VS sporadic
018	Short stature, rigid spines, elder sisters having the similar symptoms	Normal urine GAG, normal enzyme assay for MPS1-7	Affected x 1, normal father x 1	Autosomal recessive
019	Congenital heart block, Marfanoid appearance	None	Affected x 1, normal parents x 2	Autosomal recessive VS sporadic
020	Retinitis pigmentosa, pineal gland tumor, sensorineural hearing loss, history of parental consanguinity	Normal RPE65 sequencing and normal microarray for hot spots of RP genes	Affected x 1, normal parents, wife and son x 4	Autosomal recessive

Laboratory technician



Bioinformatician



Clinical Molecular Geneticist



Doctor



Genome sequencing

Data analysis

Clinical interpretation

Patient





Prof. Duangrurdee Wattanasirichaigoon MD, Ph.D.
Dip.American Board (Medical Genetics)

Clinical Exome & Target Region Sequencing

Inherited Heart diseases

DMD (Duchenne muscular dystrophy)

Hereditary hearing loss

Inherited metabolic disorders

Epilepsy - Channelopathy

Osteogenesis imperfect (brittle bone disease)

Medical Oncology Faculty in Ramathibodi Hospital

หัวหน้าสาขาวิชา



ผู้ช่วยศาสตราจารย์นายแพทย์ เอกภพ สิริราชย์นันท์

คณบ้าร์



ศาสตราจารย์นายแพทย์ วรชัย รัตนธรรม

ผู้ช่วยศาสตราจารย์นายแพทย์ เรวด พันธุ์วิเชียร



ผู้ช่วยศาสตราจารย์แพทย์หญิง ชิติยา เดชะเทวพร



อาจารย์นายแพทย์ รังษ อุติวิวัฒ



อาจารย์แพทย์หญิง ศัญญาเรืองเวทย์วัฒนา



อาจารย์นายแพทย์ พิชัย จันทร์ครุรงค์



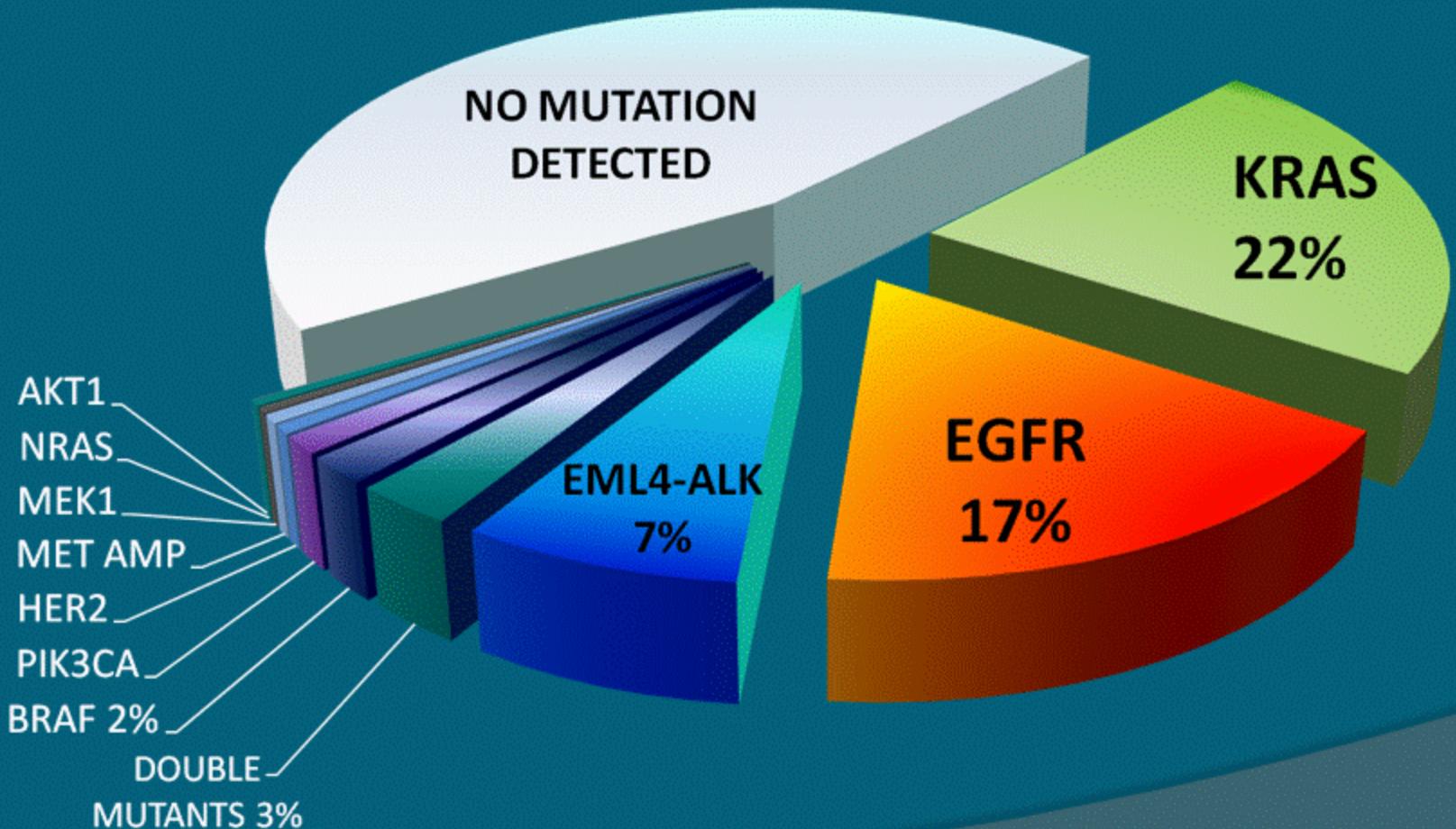
อาจารย์นายแพทย์ ณัฐพงศ์ งามไพบูลย์

Rationale for Clinical Trial in Cancer Drug Development

- Cancer is one of the most leading cause of death.
- No curative treatment for advanced stage cancer.
- Tradition chemotherapy reached the plateau efficacy of treatment.
- Molecular alterations eg. *EGFR*, *HER2*, *BRAF*, *MET*, *PI3CA*, *KRAS*, *cKIT* mutations, *ALK*, *ROS1*, *RET* translocations have been found in various types of cancer and some of them are “**Oncogenic Drive**” of cancer.

NSCLC Mutation Consortium

Incidence of Single Driver Mutations



MGC Members



ทำเพื่อมีแรงบันดาลใจ > ทำเพื่อมีแรงจูงใจ
(Inspiration) (Motivation/Incentive)

Clinicians & Scientists involving in the Medical genomic projects.



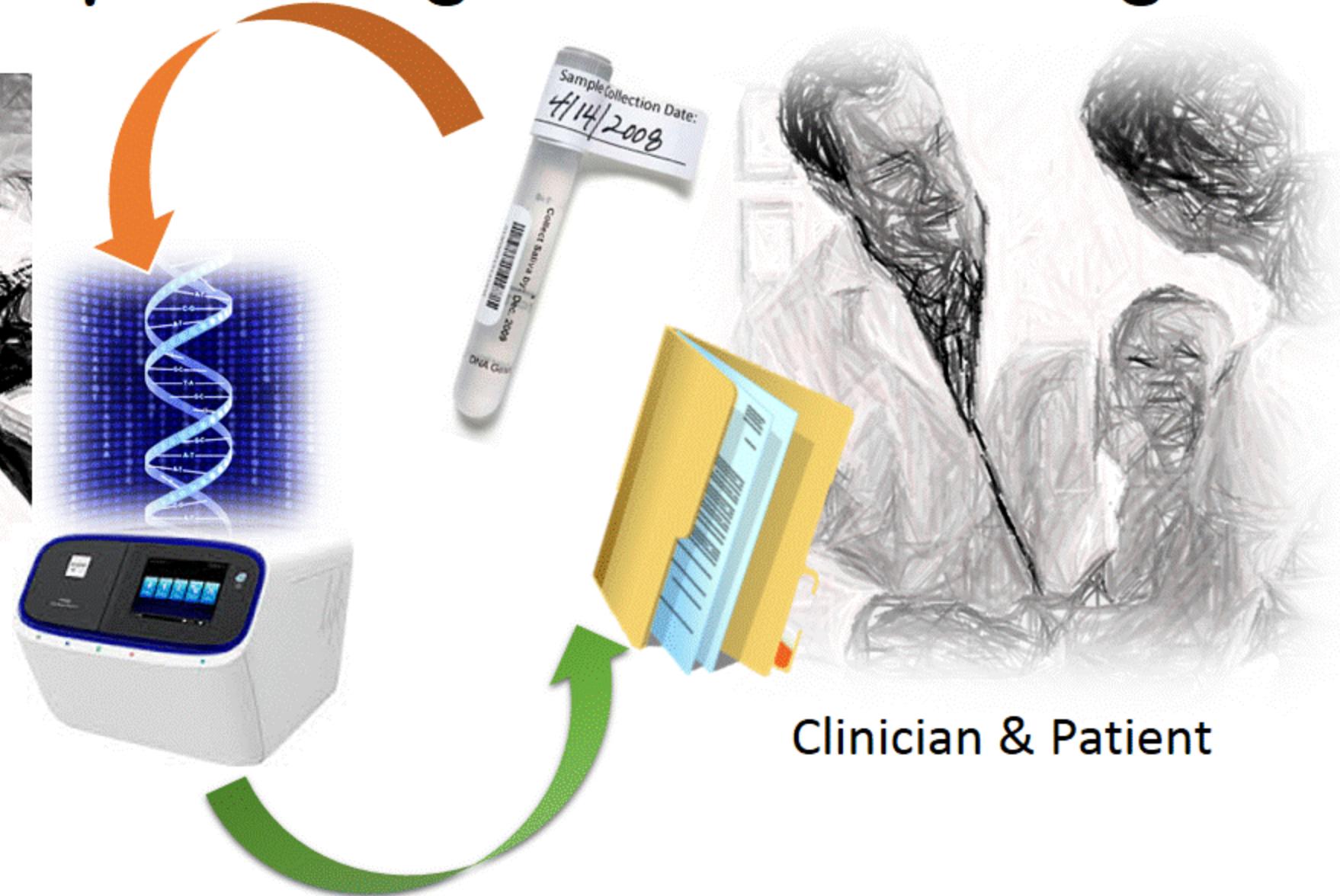
“Pretest and posttest genetic counseling”



Medical Genetic Specialists



AMERICAN BOARD OF
MEDICAL GENETICS



Executive Summary

The medical genomics research and development center for prevention, monitoring, and treatment of Thai population, focusing on human & Microbial genome decoding and clinical interpretation of those pathogenic mutations. To create innovations in genomic medicine that affect the economy and society, both nationally and internationally.

- Create a database and pipeline for genome analysis and interpretation for clinical use.
- Team building experts in medical genomic interpretation.
- To crate and support laboratory services using Medical Genomics Center, Ramathibodi Hospital as a model.
- Development of the NGS assays used in the laboratory .
- Participation in the formulation of government policies and push for a DNA test for the prevention and treatment of diseases.
- Collaboration with other agencies both within and outside the country.

- Dept. of Medicine
Dept. Obstetrics - Gynecology
Dept. of Surgery
Dept. of Pathology
Dept. of Pediatrics
Dept. of Ophthalmology
Dept. of Psychiatry

Interdisciplinary Integration



Since 2005 (2548)



Achieving Innovations

Collaboration among 24 Ramathibodi Faculty members from 7 Departments and 8 staffs member from 6 institution from outside. Currently (2013) 20 publications in International Peer Reviewed Journals have been published, 4 patents, winning the first price Thailand National Innovation Awards, 2011, and changing government policies utilizing DNA testing to prevent drug-induced SJS-TEN.

Pipelines, also known as workflows are a method of automating the processes that used to take place by hand, carried out by a bioinformatician entering commands at a computer terminal one at a time.

Center of human and pathogen genome sequencing for prevention, diagnosis, and treatment of familial cancers, inherited diseases , and genetic & genomics of infectious diseases

The HIV drug resistance sequence database from >10,000 infected patients.

Case Control GWAS (Genome Wide Association Study) database of > 4,000 individual persons.

Clinical Candidate Gene & Exome Sequencing database comprising of 4 different parts of the country's population aiming > 10,000 Thai people.

- The healthy individuals.
- The group of genetic disorders.
- The hereditary cancer patients.
- The genetic diversity and genome-level mutations in human host-pathogen affecting preventive care and treatment.

Pipeline analysis and interpretation of genomic data from various genetic, cancer, and infectious diseases.

Build up the panel of expert teams of medical genomics for prevention, diagnosis, care, and treatment.

Using the Medical Genomics Center-Ramathibodi hospital as a prototype to implement in the hospital nationwide. R & D for NGS assay kits



Communicate directly to the public through

National list of essential medicines based on Thai genomic background

Collaboration with institutions from inside and outside the country.

Regulation for DNA testing before prescribing certain medications

Universal health coverage scheme to cover the cost of genomic testing for prevention, care, and treatment.

Establishment of the South East Asian Phrmaco-genomics research network

Thai NIH

Fac. Phar.

Thai FDA

Thai UC



SEA Pharm



In summary

1. Our capacity of Genomic Medicine is small for a country size of Thailand, we need training and capacity building (Genetic counseling and Bioinformatics, Sequencing capacity).
2. Our country is moderate in size with unique genetic diversity and Universal Health Coverage.
3. Any technology that prove to be cost effective can be considered into UHC package.
4. Pharmacogenetics study is unique that we have direct access to Thai FDA and incorporated into the pharmacovigilance program.
5. Neonatal screening program is well developed and opened to new testing.